

ポスター発表 プログラム

ポスター発表 討論(奇数)

3月6日(金) 17:00 ~ 19:00

ポスター発表 討論(偶数)

3月7日(土) 17:00 ~ 19:00

ポスター発表

*ポスター賞応募希望

《ゲノムの構造と進化》

P-01* バクテリア代謝系の進化はゲノムの遺伝子セットの情報から予測できる

○今野 直輝¹⁾、岩崎 渉^{1,2)}

1) 東京大学理学部生物情報科学科、2) 東京大学大学院理学系研究科生物科学専攻

P-02* 大腸菌ゲノム縮小株ライブラリーの網羅的実験進化

○黒川 真臣¹⁾、永井 元基¹⁾、瀬尾 茂人²⁾、小椋 義俊³⁾、林 哲也³⁾、應 蓓文¹⁾

1) 筑波大・生命環境、2) 阪大院・情報、3) 九大院・医

P-03* 遺伝子発現のゲノム周期性に関する検証

○永井 元基、黒川 真臣、應 蓓文

筑波大・生命環境

P-04* 同一不和合性群に属していながら塩基組成の異なるプラスミドの宿主域比較

○徳田 真穂¹⁾、千葉 怜碧²⁾、雪 真弘³⁾、大熊 盛也³⁾、水口 千穂⁴⁾、野尻 秀昭⁴⁾、
金原 和秀^{1,2)}、新谷 政己^{1,2,3,5)}

1) 静岡大学大学院総合科学技術研究科、2) 静岡大学工学部、3) 理化学研究所 BRC-JCM、
4) 東京大学生物生産工学センター、5) 静岡大学グリーン科学技術研究所

P-05* 志賀毒素産生性大腸菌 O145:H28 におけるプロファージとプラスミドのダイナミクス

○中村 佳司¹⁾、村瀬 一典²⁾、佐藤 光彦³⁾、後藤 恭宏¹⁾、小椋 義俊¹⁾、林 哲也¹⁾

1) 九州大学大学院細菌学分野、2) 宮崎大学医学部寄生虫学教室、3) 東北大学大学院生物共生科学分野

P-06 カルバペネマーゼ産生 *Providencia alcalifaciens* 環境由来株の全ゲノム解析

○菅原 庸¹⁾、明田 幸宏^{1,2)}、萩谷 英大²⁾、朝野 和典²⁾、浜田 茂幸¹⁾

1) 大阪大学微生物病研究所・日本タイ感染症共同研究センター、2) 大阪大学病院感染制御部

P-07 シアノバクテリアでは染色体複製における DnaA 非依存への進化は複数回独立に起きている

○大林 龍胆^{1,2)}、廣岡 俊亮³⁾、大沼 亮³⁾、兼崎 友⁴⁾、広瀬 侑⁵⁾、古澤 力^{1,2)}、宮城島 進也³⁾

1) 理化学研究所 生命機能科学研究センター、2) 東京大学理学部 生物普遍性研究機構、
3) 国立遺伝学研究所 遺伝形質研究系、4) 静岡大学グリーン科学研究所、
5) 豊橋技術科学大学大学院 応用化学・生命工学系

P-08 ハイブリッドシーケンシングで解き明かすバクテリアゲノムのデザイン

○河野 暢明、飯井 虹之介、富田 勝、荒川 和晴

慶應義塾大学先端生命科学研究所

P-09* シロアリ腸内原生生物に細胞内共生する *Endomicrobium* 属細菌の比較ゲノム解析で見出された基幹代謝系の改変

○吉岡 拓哉¹⁾、伊澤 和輝¹⁾、竹内 真理子¹⁾、桑原 宏和¹⁾、猪飼 桂¹⁾、大熊 盛也²⁾、
本郷 裕一^{1,2)}

1) 東京工業大学 生命理工学院、2) 理化学研究所 バイオリソース研究センター 微生物材料開発室

P-10 酢酸菌ゲノムから切り出されて環状化する DNA 領域

布川 溪、上田 賢志、○高野 英晃

日本大学生物資源科学部

- P-11*** 腸管出血性大腸菌 O103:H2 における高精度系統解析と完全長配列決定株のゲノム構造比較
○谷口 愛樹¹⁾、中村 佳司¹⁾、伊豫田 淳²⁾、大西 真²⁾、大岡 唯祐³⁾、小椋 義俊¹⁾、林 哲也¹⁾
1)九州大学大学院 医学研究院 細菌学分野、2)国立感染症研究所 細菌第一部、3)鹿児島大学大学院 医歯学総合研究科 微生物学分野
- P-12** 可動性遺伝因子における部位特異的組換え機構の互換性
○鈴木 祥太¹⁾、茶谷 朋哉²⁾、今村 大輔²⁾、安部 公博¹⁾、佐藤 勉^{1,2)}
1)法政大学 マイクロ・ナノテクノロジー研究センター、2)法政大学 生命科学部 生命機能学科
- P-13*** 光合成を失う前に何が起こるのか？真核藻類クリプト藻をモデルとした色素体ゲノムの比較解析
○鈴木 重勝¹⁾、松崎 令^{1,2)}、山口 晴代¹⁾、河地 正伸¹⁾
1)国立環境研究所、2)筑波大学生命環境系
- P-14*** デイノコッカス属細菌の放射線照射・修復後ゲノムの de novo アセンブル
○芝井 厚¹⁾、佐藤 勝也²⁾、鳴海 一成³⁾、古澤 力^{1,4)}
1)理研 BDR、2) QST 高崎、3) 東洋大生命科学科、4) 東大大学院理学系研究科
- P-15*** 農薬分解細菌を用いた平板培地実験進化系の構築
○仁平 賢¹⁾、山本 達也²⁾、平野 彰大¹⁾、野村 暢彦^{2,3)}、永田 裕二¹⁾、矢野 大和¹⁾
1)東北大 院生命、2)筑波大 生命環境、3)微生物サステナビリティ研究センター
- P-16*** *Shewanella* 属細菌のゲノム塩基組成の解析
○渡邊 あおい¹⁾、藁科 友朗²⁾、鈴木 治夫³⁾、富田 勝⁴⁾
1)慶應義塾大学 総合政策学部 3 年、2)慶應義塾大学 環境情報学部 4 年、3)慶應義塾大学 環境情報学部、4)慶應義塾大学 環境情報学部、慶應義塾大学先端生命科学研究所
- 《その他》
- P-17*** バクテリアのトランスポゾンの転移における複製再開タンパク質の関与
○井野 美咲、関根 靖彦
立教大・理・生命理
- P-18*** アラレマイシン合成酵素 AlmA と 5-アミノレブリン酸合成酵素 ALAS の進化的関連性
○川口 潤、森 ひかる、岩井 伯隆、和地 正明
東京工業大学生命理工学院
- P-19*** 大腸菌 IEE タンパク質が大腸菌の生育に与える影響の解析
○板垣 佑弥、関根 靖彦
立教大・理・生命理
- P-20** 大腸菌ゲノムより見出された形質転換に関与する遺伝子群
○野崎 晋五¹⁾、仁木 宏典²⁾
1)立教大学理学部生命理学科、2)国立遺伝学研究所遺伝形質研究系
- P-21*** 多彩な DNA 組換えを引き起こす大腸菌 IEE の生化学的活性の解析
○岸野 廉、板垣 佑弥、武藤 駿太郎、関根 靖彦
立教大・理・生命理学

《細胞増殖と分化の分子機構》

P-22* *Anabaena* sp. PCC7120 における酸性ストレス下での細胞分化と遺伝子発現への影響○佐藤 正典¹⁾、齋藤 慶和¹⁾、堺 裕希乃¹⁾、高橋 晃一¹⁾、内山 純爾^{1,2)}、太田 尚孝^{1,2)}

1) 東京理科大学大学院 理学研究科 科学教育専攻、2) 東京理科大学 理学部 教養学科

P-23* REMI法を用いた細胞性粘菌集合異常株の探索および原因遺伝子の機能解析○木田 裕哉¹⁾、桑山 秀一²⁾

1) 筑波大学大学院 生命環境科学研究科 生物科学専攻、2) 筑波大学生命環境系

P-24* 複製ヘリカーゼ DnaB の装着を制御する DNA 複製開始複合体の構造機能解析

○永田 麻梨子、崎山 友香里、尾崎 省吾、片山 勉

九州大学・薬・分子生物

P-25* バクテリアルシフェラーゼを用いた細胞内レドックス測定による枯草菌胞子形成開始機構の解析○矢部 みちる¹⁾、山口 将司²⁾、朝井 計¹⁾

1) 東京農業大学生命科学部 バイオサイエンス学科、2) 東京農業大学大学院 農学研究科 バイオサイエンス専攻

P-26 マグネトソームの細胞内配置を担うアクチン様蛋白質 MamK の機能保存性澤田 新菜¹⁾、菊池 洋輔¹⁾、福森 義宏²⁾、○田岡 東^{1,3)}

1) 金沢大学理工研究域、2) 金沢大学理事(副学長)、3) 金沢大学ナノ生命科学研究所

P-27* シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC6803 における4つの ClpP の役割○甲賀 栄貴¹⁾、齋藤 慶和¹⁾、内山 純爾^{1,2)}、太田 尚孝^{1,2)}

1) 東京理科大学大学院・理学研究科、2) 東京理科大学・理学部

P-28 藍藻による難溶解性金属ナノ粒子の可溶性促進機構の解析○吉原 静恵¹⁾、大畑 瑠菜²⁾、藤村 花凛²⁾、徳本 勇人¹⁾

1) 大阪府立大学大学院 理学系研究科、2) 大阪府立大学生命環境科学域

《方法論》

P-29* 線虫のメタゲノム解析を用いた土壌環境の評価○濱野 樹¹⁾、吉原 静恵¹⁾、倉橋 健介²⁾、徳本 勇人¹⁾

1) 大阪府立大学大学院 理学系研究科、2) 大阪府立大学工業高等専門学校 環境物質科学コース

P-30 微生物ゲノムライブラリーを手軽で格安に作るー1コインゲノム解析を目指して○井原 邦夫¹⁾、上坂 一馬²⁾

1) 名古屋大学遺伝子実験施設、2) 名古屋大学 農学部

P-31 FLDS法の改変によるトランスクリプトーム解析手法の開発○高木 善弘¹⁾、平井 美穂¹⁾、浦山 俊一²⁾、布浦 拓郎³⁾

1) 海洋研究開発機構超先鋭研究プログラム、2) 筑波大学系状菌相互応答講座、3) 海洋研究開発機構生命理工学センター

《バイオインフォマティクス》

P-32* Graph Splitting 法が解き明かす初期進化と高速進化

○松井 求、岩崎 渉

東京大学 大学院理学系研究科 生物科学専攻

- P-33 *** 自然言語処理による知識抽出のための辞書構築と生物実験結果解釈への応用
○野村 航¹⁾、辰巳 守祐¹⁾、武藤 愛²⁾、森 浩禎²⁾、松本 裕治^{1,3)}
1) 奈良先端科学技術大学院大学先端科学技術研究科情報科学領域、
2) 奈良先端科学技術大学院大学データ駆動型サイエンス創造センター、
3) 理化学研究所革新知能統合研究センター
- P-34 *** DNA複製による生じる染色体DNA配列量動態の確率統計的な解析
○鈴木 真也、山田 拓司
東京工業大学生命理工学院
- P-35 *** メタゲノム由来ゲノムにより解き明かす海洋微生物の多様性
○西村 陽介¹⁾、吉澤 晋^{1,2)}
1) 東大・大海研、2) 東大・院新領域
- P-36** アミノ酸配列の位置情報行列に基づく Short Linear Motif 検出法の開発
伊藤 朔¹⁾、五十嵐 学²⁾、○阿部 貴志¹⁾
1) 新潟大学大学院 自然科学研究科、2) 北海道大学 人獣共通感染症リサーチセンター
- P-37** 近縁微生物ゲノムが存在する場合の簡易ゲノムフィニッシング手法
○上坂 一馬¹⁾、井原 邦夫²⁾
1) 名古屋大学大学院生命農学研究科、2) 名古屋大学遺伝子実験施設
- P-38** 微生物ゲノムスケール代謝モデルの構築における酵素タンパク質の細胞内局在予測手法の影響
○厨 祐喜¹⁾、白井 智量²⁾、荒木 通啓^{1,3)}
1) 京都大学 大学院医学研究科 臨床システム腫瘍学、2) 理化学研究所 環境資源科学研究センター、
3) 神戸大学 大学院科学技術イノベーション研究科
- P-39 *** 微生物生態系における「逆張り戦略」：
他と異なる遺伝子を持つという生存戦略の提唱
○占部 雄飛¹⁾、岩崎 渉^{1,2)}
1) 東京大学理学部生物情報科学科、2) 東京大学大学院理学系研究科生物科学専攻
- P-40 *** 機械学習と大腸菌実験室進化データを用いた進化拘束の解析
○岩澤 諄一郎¹⁾、前田 智也²⁾、堀之内 貴明²⁾、古澤 力^{2,3)}
1) 東京大学大学院 物理学専攻、2) 理化学研究所 生命機能科学研究センター、3) 東京大学 生物普遍性研究所
- P-41** 微生物統合データベース MicrobeDB.jp version 3
○森 宙史¹⁾、藤澤 貴智¹⁾、西出 浩世²⁾、矢口 貴志³⁾、高橋 弘喜³⁾、中川 善一⁴⁾、
山田 拓司⁴⁾、内山 郁夫²⁾、中村 保一¹⁾、黒川 顕¹⁾
1) 情報・システム研究機構 国立遺伝学研究所、2) 自然科学研究機構 基礎生物学研究所、
3) 千葉大学真菌医学研究センター、4) 東京工業大学生命理工学院
- 《遺伝子の発現制御》
- P-42 *** *Pseudomonas* 属細菌由来の核様体タンパク質 NdpA における
多量体化ドメインの探索
○佐道 陽弘¹⁾、水口 千穂^{1,2)}、岡田 憲典¹⁾、野尻 秀昭^{1,2)}
1) 東大・生物工学セ、2) 東大・微生物連携機構
- P-43 *** ストレス条件下における H-NS ホモログタンパク質 StpA、Hha、YdgT の
生物学的重要性
○指宿 幸紀¹⁾、大島 拓¹⁾、上田 剛士²⁾
1) 富山県立大学、2) 奈良先端科学技術大学院大学

- P-44*** *Synechocystis* sp. PCC6803 の細胞内 pH の調節に関わる Slr2006-2009 の解析
○堺 裕希乃¹⁾、高橋 晃一¹⁾、齋藤 慶和¹⁾、佐藤 正典¹⁾、松宮 志穂¹⁾、内山 純爾^{1,2)}、
太田 尚孝^{1,2)}
1) 東京理科大学大学院理学研究科、2) 東京理科大学理学部
- P-45*** “Backup” だけではないープラスミド由来 H-NS 様因子の機能ー
○中村 泰輔¹⁾、河野 響¹⁾、兼崎 友²⁾、川崎 信治^{3,4)}、水口 千穂^{1,5)}、岡田 憲典¹⁾、野尻 秀昭^{1,5)}
1) 東大・生物工学セ、2) 東農大・ゲノム解析セ、3) 東農大・バイオ、4) 東農大・微生物、
5) 東大・微生物連携機構
- P-46** 大腸菌における植物由来化合物を利用するための
グローバルレギュレーター PlaR (YiaJ) のゲノム転写制御ネットワークの解明
○島田 友裕¹⁾、安西 拓実¹⁾、石浜 明²⁾
1) 明治大学農学部、2) 法政大学マイクロ・ナノテクノロジー研究センター
- P-47*** 大腸菌におけるピルビン酸応答転写因子 PdhR による
ゲノム転写制御ネットワークの解明
○安西 拓実¹⁾、今村 壮輔²⁾、石浜 明³⁾、島田 友裕¹⁾
1) 明治大・農、2) 東工大・化生研、3) 法政大・マイクロナノテク研
- P-48*** *Synechocystis* sp. PCC6803 の sll0914 欠損による高温ストレス耐性への影響
○松宮 志穂¹⁾、高橋 晃一¹⁾、堺 裕希乃¹⁾、齋藤 慶和¹⁾、太田 尚孝^{1,2)}、内山 純爾^{1,2)}
1) 東京理科大学大学院理学研究科、2) 東京理科大学理学部
- P-49*** シトロバクター属細菌に適用できる染色体埋込・遺伝子発現ベクターの開発と
その応用
○松尾 友梨子、井上 真奈、中山 樹、武尾 正弘
兵庫県立大学大学院工学研究科応用化学専攻
- P-50*** *Corynebacterium glutamicum* における RNase E/G と Rho の関係
○川目 貴裕¹⁾、遠藤 諭¹⁾、岩井 伯隆¹⁾、兼崎 友²⁾、吉川 博文³⁾、和地 正明¹⁾
1) 東京工業大学生命理工学院、2) 東京農業大学生物資源ゲノム解析センター、3) 東京農業大学生命科学部
- P-51*** Quorum sensing の自己誘導ペプチド前駆体をコードする遺伝子の破壊による
レポーター株作製
○水島 明日香¹⁾、奈須野 恵理¹⁾、杉本 真也²⁾、加藤 紀弘¹⁾
1) 宇都宮大学大学院地域創生科学研究科、2) 東京慈恵会医科大学細菌学講座
- P-52*** *Bifidobacterium longum* NCC2705 株のもつ二成分制御系 BL0005-BL0006 の
転写調節機構
○小酒井 智也¹⁾、下総 葉子²⁾、和泉 絢子³⁾、野村 泉⁴⁾、鈴木 徹⁴⁾
1) 岐阜大学大学院連合農学研究科、2) 岐阜大学大学院自然科学技術研究科、
3) 岐阜大学大学院応用生物科学研究科、4) 岐阜大学応用生物科学部
- P-53*** 網羅的遺伝子発現解析によって見えてきたアンモニア酸化細菌の
凝集体と非凝集体の分業形態
○一色 理乃¹⁾、藤谷 拓嗣²⁾、常田 聡¹⁾
1) 早稲田大学大学院 先進理工学研究科、2) 産業技術総合研究所 バイオメディカル研究部門
- P-54*** 酸性ストレス下での *Synechocystis* sp. PCC6803 の肥大化に関わる
二成分制御系 DivJK を介した FtsZ 発現制御
○齋藤 慶和¹⁾、甲賀 栄貴¹⁾、堺 裕希乃¹⁾、佐藤 正典¹⁾、高橋 晃一¹⁾、内山 純爾^{1,2)}、
太田 尚孝^{1,2)}
1) 東京理科大学大学院 理学研究科 科学教育専攻、2) 東京理科大学 理学部 教養学科

- P-55** 酢酸菌の高温適応変異株の発現変動解析による表現型に寄与する因子の探索
 ○松谷 峰之介¹⁾、松本 奈実²⁾、西倉 慎顕²⁾、秦野 智行²⁾、Natsaran Saichana²⁾、
 Uraiwan Masud-Tippayasak²⁾、服部 浩美²⁾、兼崎 友¹⁾、片岡 尚也²⁾、薬師 寿治^{2,3)}、
 松下 一信^{2,3)}
 1) 東京農業大学生物資源ゲノム解析センター、2) 山口大学 大学院創成科学研究科(農学)・生物機能科学分野、
 3) 山口大学中高温微生物研究センター

- P-56 *** 嫌気環境で生育不良を示すシアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803
 変異株の網羅的遺伝子発現解析
 ○藤島 百花¹⁾、上坂 一馬²⁾、平田 香織¹⁾、藤田 祐一³⁾、井原 邦夫²⁾、寺内 一姫¹⁾
 1) 立命館大学生命科学研究科、2) 名古屋大学遺伝子実験施設、3) 名古屋大学生命農学研究科

- P-57 *** 枯草菌を用いた遺伝子重複と変異による転写装置の機能分化の解析
 ○石垣 媛菜、吉川 博文、朝井 計
 東京農業大学大学院農学研究科バイオサイエンス専攻

- P-58** 大腸菌の定常期における生存に対する酸化ストレスの影響
 ○永井 敬大、加藤 潤一
 首都大学東京大学院理学部

《合成生物学》

- P-59 *** 複数の複製起点 *oriC* の導入による長鎖環状 DNA の試験管内増幅の効率化
 ○藤田 裕寛、奈良 聖亜、向井 崇人、末次 正幸
 立教大学理学部生命学科

- P-60 *** 枯草菌細胞内におけるシアノバクテリア RNA ポリメラーゼの構築
 ○佐藤 龍一¹⁾、美田 知也¹⁾、渡辺 智¹⁾、兼崎 友²⁾、板谷 光泰³⁾、吉川 博文¹⁾、朝井 計¹⁾
 1) 東京農業大学大学院 バイオサイエンス専攻、2) 静岡大学 グリーン科学技術研究所、
 3) 高機能遺伝子デザイン技術研究組合

- P-61 *** 大腸菌染色体複製サイクル再構成系を基盤とした自己複製システムの構築
 ○奈良 聖亜、長谷部 友憲、高田 啓、末次 正幸
 立教大学大学院理学研究科生命理学専攻

《真核微生物》

- P-62 *** 経時寿命が延長する分裂酵母変異株のスクリーニングと新規寿命関連因子の同定
 ○松井 滉太郎¹⁾、岡本 啓佑¹⁾、長谷川 朋香¹⁾、島崎 嵩史¹⁾、大塚 北斗¹⁾、井原 邦夫²⁾、
 中村 彰伸³⁾、後藤 祐平³⁾、青木 一洋³⁾、饗場 浩文¹⁾
 1) 名古屋大学大学院創薬科学研究科、2) 名古屋大学遺伝子実験施設、3) 基礎生物学研究所

《病原微生物》

- P-63** 冷水病罹患アユからの *Flavobacterium* 属の分離
 ○佐藤 啓子¹⁾、大原 健一²⁾、藤井 亮吏²⁾、近藤 好夫¹⁾、中井 雄大¹⁾、林 秀明¹⁾、
 和田 崇之³⁾、内藤 真理子¹⁾
 1) 長崎大学 医歯薬学総合、2) 岐阜水産研究所、3) 長崎大学 熱帯医学研究所

《真核微生物》

- P-64 *** ¹³C 代謝フラックス解析法による出芽酵母実用株の代謝比較
 ○谷田部 楓太、岡橋 伸幸、松田 史生
 大阪大学大学院情報科学研究科

- P-65 *** 分裂酵母における硫黄枯渇と細胞応答
 ○筒井 優、服部 允越、八田 佳子、大塚 北斗、島崎 嵩史、饗場 浩文
 名古屋大学大学院創薬科学研究科

《病原微生物》

- P-66 *** 大規模ゲノム比較解析による *Serratia marcescens* とその近縁種の多様性の解明
○小野 友行^{1,2)}、中村 佳司¹⁾、後藤 恭宏¹⁾、井口 純³⁾、後藤 直正⁴⁾、伊藤 武彦⁵⁾、
小椋 義俊¹⁾、塩瀬 明²⁾、林 哲也¹⁾
1)九州大学大学院医学研究院細菌学分野、2)九州大学大学院医学研究院循環器外科学、
3)宮崎大学 農学部 畜産草地科学科 衛生微生物学、4)京都薬科大学、5)東京工業大学 生命理工学コース

《真核微生物》

- P-67 *** 分裂酵母における Tschimganine の作用機構の解析
○持田 尚宏、大塚 北斗、松本 拓磨、島崎 嵩史、澁谷 正俊、山本 芳彦、饗場 浩文
名古屋大学大学院創薬科学研究科
- P-68 *** 始原紅藻 *Cyanidioschyzon merolae* の tRNA^{Arg} (ACG) のイノシン修飾の解析
○佐野 光、相馬 亜希子
千葉大学大学院園芸学研究科

《環境微生物》

- P-69 *** シロアリ腸内原生生物運動共生細菌 “*Ca. Tammella caduceiae*” のゲノム解析
○加藤 大貴¹⁾、桑原 宏和¹⁾、豊田 敦²⁾、大熊 盛也³⁾、本郷 裕一^{1,3)}
1)東工大・生命理工、2)遺伝研、3)理研 BRC-JCM
- P-70 *** 褐藻分解者ハマトビムシの腸管内微生物の探索およびメタゲノム解析
○中村 晟一郎¹⁾、馬場 保徳²⁾、河井 重幸²⁾
1)石川県立大学大学院 生物資源環境学研究科 応用生命科学専攻、2)石川県立大学 生物資源工学研究所
- P-71** 皮膚常在細菌叢における CRISPR の多様性
○豊間根 耕地、横田 亮、渡邊 賢、阿久津 智子
科学警察研究所
- P-72 *** 阿寒湖のマリモはなぜ丸く大きくなるのか？
ーマリモの巨大化と内部マイクロバイオームの関連性ー
○中井 亮佑¹⁾、若菜 勇²⁾、仁木 宏典³⁾
1)産業技術総合研究所・生物プロセス研究部門、2)釧路国際ウェットランドセンター、
3)国立遺伝学研究所・遺伝形質研究系
- P-73 *** シロアリ腸内原生生物に細胞内共生する Clostridiales 目細菌の発見とゲノム解析
○高橋 一樹¹⁾、桑原 宏和¹⁾、堀川 雄太郎¹⁾、伊澤 和輝¹⁾、雪 真弘²⁾、大熊 盛也²⁾、
本郷 裕一^{1,2)}
1)東京工業大学 生命理工学院、2)理化学研究所 バイオリソース研究センター 微生物材料開発室
- P-74 *** 網羅的転写解析による大阪湾の海洋原核生物とウイルスの日周期の解明
○富永 賢人、西門 航平、武部 紘明、吉田 天士
京都大学大学院 農学研究科 海洋分子微生物分野
- P-75 *** バイオフィリックデザイン空間における大気マイクロバイオームの要因推定
○豊田 章倫¹⁾、片平 悟史¹⁾、池内 暁紀¹⁾、松尾 祐児¹⁾、鈴木 章太郎²⁾、岩月 隆一²⁾、
黒川 顕³⁾、伊藤 正和¹⁾
1)トヨタ自動車株式会社、2)パソナ・パナソニック ビジネスサービス株式会社、3)国立遺伝学研究所
- P-76 *** *Roseomonas* 属細菌の Quorum sensing シグナル合成酵素非生産株における
シグナル受容体 LuxR solo の機能解析
○杉山 大地、遠藤 瑞歩、奈須野 恵理、加藤 紀弘
宇都宮大学工学部応用化学科

- P-77*** 有機塩素殺虫剤分解酵素遺伝子取得のための人工キャプチャリング株の構築
○蘇 立俊、加藤 広海、大坪 嘉行、津田 雅孝、永田 裕二
東北大学大学院生命科学研究科
- P-78*** メタゲノムデータから解明する氷河細菌群集の地域的多様性
○村上 匠¹⁾、瀬川 高弘²⁾、広瀬 侑³⁾、森 宙史¹⁾、竹内 望⁴⁾
1) 遺伝研 情報研究系、2) 山梨大 総合分析実験センター、3) 豊橋技科大 応用化学・生命工学系、
4) 千葉大 理学研究院
- P-79** 火熱攪乱による森林土壌の細菌と真菌群集の応答と回復
○笠原 康裕¹⁾、高橋 一弘¹⁾、小椋 義俊²⁾、三木 健³⁾、新井 大輔⁴⁾、林 哲也²⁾、佐藤 雅志⁵⁾
1) 北海道大学低温科学研究所、2) 九州大学大学院医学研究院、3) 龍谷大学理工学部、4) 山形大学農学部、
5) 東北大学大学院農学研究科
- P-80** ダイズ根粒菌 *Bradyrhizobium diazoefficiens* USDA110 系統におけるゲノム構造変化と共生窒素固定能力
○板倉 学¹⁾、金子 貴一¹⁾、三屋 公佑²⁾、南澤 究²⁾
1) 京都産業大学生態進化発生学研究センター、2) 東北大学大学院生命科学研究科
- P-81** 冷却塔に定着する *L. pneumophila* が保有するプラスミドの遺伝的特徴
○中西 典子、野本 竜平、田中 忍、岩本 明忠
神戸市環境保健研究所 感染症部
- P-82*** 様々な環境ストレス下における *Synechocystis* sp. PCC6803 のバイオフィルム構成成分と性質の違い
○高橋 晃一¹⁾、石川 晴菜²⁾、板垣 文子²⁾、堺 裕希乃¹⁾、齋藤 慶和¹⁾、佐藤 正典¹⁾、
内山 純爾^{1, 2, 3)}、太田 尚孝^{1, 2, 3)}
1) 東理大・理学・科学教育、2) 東理大・科学教育・科学教育、3) 東理大・理・教養
- P-83*** メタ16S/18S解析による浴槽中の微生物叢の解明
○久代 健太¹⁾、阿部 貴志¹⁾、谷崎 三郎²⁾、堀江 怜平²⁾、近藤 昭宏²⁾
1) 新潟大学大学院自然科学研究科、2) 株式会社日吉
- P-84** 南極藻類マットの菌叢解析
○広瀬 侑¹⁾、塩崎 拓平²⁾、大谷 真広³⁾、浴 俊彦¹⁾、原田 尚美²⁾
1) 豊橋技術科学大学 大学院工学研究科 応用化学・生命工学系、2) 海洋研究開発機構、3) 新潟大学 農学部
- P-85*** *Burkholderia* 属へム獲得系転写活性化因子 HemP の普遍的機能の解析
○野々山 翔太、佐藤 拓哉、永田 裕二、大坪 嘉行、津田 雅孝
東北大 院生命
- P-86*** 環境微生物叢メタトランスクリプトーム解析に長時間を要するサンプリングが及ぼす影響
○元木 香織^{1, 2)}、和辻 智郎^{2, 3)}、高木 善弘²⁾、徳田 真紀²⁾、笠谷 貴史²⁾、高井 研²⁾、
岩崎 渉^{1, 4, 5)}
1) 東京大学大学院 理学系研究科、2) 海洋研究開発機構、3) 東筑紫短期大学食物栄養学科、
4) 東京大学 大気海洋研究所、5) 東京大学 微生物科学イノベーション連携研究機構
- P-87** 長野県大町市における高校の新校舎と旧校舎の微生物群集構造
○小坂 壮亮¹⁾、塩島 由妃乃¹⁾、竹内 颯¹⁾、濱武 風太¹⁾、藤巻 夏乃¹⁾、古川 叶人¹⁾、
東 光一²⁾、森 宙史²⁾、豊田 敦²⁾、黒川 顕²⁾、田中 崇行¹⁾
1) 長野県大町岳陽高等学校、2) 国立遺伝学研究所

- P-88*** 酸化亜鉛ナノ粒子が褐虫藻 *Symbiodinium minutum* の成育に与える影響の解析
○藤村 花凜¹⁾、大畑 瑠奈¹⁾、吉原 静恵²⁾、皆川 純³⁾、徳本 勇人²⁾
1)大阪府立大学生命環境科学域、2)大阪府立大学院理学系研究科、3)自然科学研究機構基礎生物学研究所

《ゲノム情報の活用、ゲノム育種》

- P-89** 風連鍾乳洞内に生育する照明植生の微生物叢解析
○黒坂 愛美¹⁾、佐藤 嘉則²⁾、片山 葉子²⁾、朽津 信明²⁾、西澤 智康¹⁾
1)茨城大学大学院農学研究科、2)東京文化財研究所 保存科学研究センター

- P-90** 好塩性光合成細菌 *Halorhodospira halochloris* のゲラニルゲラニル還元酵素
○塚谷 祐介¹⁾、原田 二郎²⁾、田中 圭子¹⁾、民秋 均³⁾
1)海洋研究開発機構・超先鋭研究開発部門、2)久留米大学・医学部、3)立命館大院・生命科学

- P-91*** qTnSeq法を利用したPCB/ビフェニル分解菌の分解制限要因の同定と排除
○逸見 裕太郎、永田 裕二、津田 雅孝、大坪 嘉行
東北大学大学院生命科学研究所

- P-92** 石人山古墳石棺表面から分離した藻類のメタゲノム解析
小沼 奈那美¹⁾、○加藤 徳子²⁾、郭 永¹⁾、佐藤 嘉則³⁾、朽津 信明³⁾、西澤 智康^{1,2)}
1)茨城大学農学部、2)東京農工大学大学院連合農学研究科、3)東京文化財研究所 保存科学研究センター

- P-93*** ゴムからの生分解性プラスチック生産の実現に必要なゴム分解菌
Rhizobacter gummiphilus NS21T株の機能解析
○儀武 菜美子、笠井 大輔
長岡技術科学大学