

ショートトーク

※イタリック・上付文字・下付文字等は反映されていません。

3月6日（金） 16:30-17:20

1St1-01 (1P-05)

アラレマイシン生産菌の2つのALA合成酵素ホモログの機能解析

○森 ひかる、岩井伯隆、和地正明

東京工業大学大学院 生命理工学研究科 生物プロセス専攻

1St1-02 (1P-06)

放線菌 *Actinoplanes missouriensis* の孢子囊の開裂に必要な遺伝子の

RNA-Seq による探索

○安田理沙、毛利佳弘、手塚武揚、大西康夫

東大院・農生科・応生工

1St1-03 (1P-08)

合成生物学の申し子“シアノバチルス”の転写装置起動の試み

○細村匡太郎 1、渡辺 智 1、兼崎 友 2、板谷光奏 3、吉川博文 1

1) 東京農大・応生科・バイオ、2) 東京農大・NGRC、3) 慶応大・先端生命研

1St1-04 (1P-10)

合成生物学の展開に向けた光応答性大腸菌の創成

○岡 駿佑、堀槇佑子、杉江よしみ、大塚北斗、饗場浩文

名古屋大院・創薬・分子微生物

1St1-05 (1P-13)

ミヤコグサ根粒菌用分子遺伝学ツール・セットの開発

○大澤美芙、窪田和奈、新庄莉奈、佐伯和彦

奈良女子大・院人間文化・生物科学

1St1-06 (1P-22)

フェノミクスによる遺伝子機能の決定

○ Turner Peter¹、小川 博¹、Bochner Barry²

1) 株式会社セントラル科学貿易 東京、 2) Biolog Inc、USA

1St1-07 (1P-18)

枯草菌 ferredoxin-NADP+酸化還元酵素と ferredoxin 間の電子伝達反応の速度論解析に基づく反応機構

○瀬尾悌介 1、櫻井英博 2、Pierre Sétif³、櫻井 武 1

1) 金沢大・理工・物質化学、2) 神奈川大・光合成水素生産研、3) CEA, iBiTecS, France

1St1-08 (1P-23)

アラレマイシンのマラリア原虫 *Plasmodium falciparum* 由来 PBGS に対する阻害活性の評価

○矢野寛明、松尾智彰、奥 純平、中山恭介、岩井伯隆、和地正明

東工大院・生命理工・生物プロセス

1St1-09 (1P-24)

真核生物反復配列データベース Replibase

○小島健司 1,2、Weidong Bao¹、Jerzy Jurka¹

1) Genetic Information Research Institute、2) 東大院・新領域

1St1-10 (1P-25)

複数プラットフォームのデータを用いた de novo ハイブリッドアセンブリに関する検討

○斎藤賢治、宮本真理

株式会社キアゲン・アプライドアドバンストゲノミクス

1St1-11 (1P-28)

Genome Refine: 自動ゲノムアノテーション統合環境を提供するウェブサービス

○藤澤貴智 1、森 宙史 2、岡本忍 3、山本泰智 3、片山俊明 3、川島 秀一 3、谷澤靖洋 1、神沼英里 1、大山彰 4、菅原秀明 1、内山郁夫 5、黒川顕 2、中村保一 1

1) 遺伝研・生命情報研究センター、2) 東工大・生命理工、3) DBCLS、

4) インシリコバイオロジー株式会社、5) 基生研・理論生物学領域

1St1-12 (1P-38)

全ゲノム配列情報を用いた近縁菌株の迅速高精度系統解析手法の開発：病原菌感染経路推測への応用

○吉村 大 1、後藤恭宏 2、小椋義俊 3、林哲也 3、伊藤武彦 1

1) 東工大・生命理工、2) 宮崎大・医学部、

3) 宮崎大・フロンティア科学実験総合センター

1St1-13 (1P-47)

深海酵母 *Cryptococcus liquefaciens* strain N6 のゲノム再構築と RNA-Seq による銅耐性の解析

○森本博也、筒井康博、岩崎博史、伊藤武彦
東工大院・生命理工

1St1-14 (1P-36)

メタゲノム解析における歯垢試料の影響の評価指標について

○篠崎夏子 1,2、山岸潤也 3、佐藤行人 2、長崎正朗 2、坪井明人 2、山下 理宇 2
1) 東北大 医学系研究科、2) 東北大 ToMMo、3) 北大 人獣共センター

1St1-15 (1P-30)

新機能を搭載した生理・代謝機能評価システム MAPLE 2.0.0.

○荒井 渉 1、谷口丈晃 2、五斗 進 3、高見英人 1
1) 海洋機構・資源、2) 三菱総研・人間、3) 京大・化研

1St1-16 (1P-53)

枯草菌 α オペロンの構造と発現の解析

○白川文教、池田宗太郎、朝井 計
埼玉大・理工学研究科

1St1-17 (1P-67)

異なる環境シグナルを認識するふたつの二成分制御系 YedV/W, CusS/R による標的遺伝子発現の協調制御

○浦野浩行 1、石浜 明 2、小笠原 寛 1
1) 信州大・ヒト環境研究セ、2) 法政大・マイクロ・ナノテク研究セ

1St1-18 (1P-66)

土壌細菌 *Burkholderia multivorans* ATCC17616 株における Fur の機能及び発現制御機構の解析

○佐藤拓哉、木村明音、湯原悟志、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝
東北大・院生命

1St1-19 (1P-65)

Synechocystis sp. PCC6803 の Lipid A トランスポーターホモログは酸性ストレス耐性に関与する

○松橋 歩 1、田原寛子 1、伊藤雄太郎 2、内山純爾 3、小川 寛 4、太田尚孝 1,3

1) 東理大・理、2) 東理大・基礎工、3) 東理大・総研・RNA、4) 三重大・医・電顕室

1St1-20 (1P-63)

シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC6803 の脂質輸送に関与する遺伝子の環境ストレス条件下における転写解析

○田原寛子 1、松橋 歩 1、内山純爾 2、小川 寛 3、太田尚孝 1,2

1) 東理大・理、2) 東理大・総研・RNA、3) 三重大・医・電顕室

1St1-21 (1P-60)

大腸菌におけるシアノバクテリア時計遺伝子の発現とその制御解析

○水谷直哉、松田宏矢、安部さゆり、浅井智広、寺内一姫

立命館大・生命科学

1St1-22 (1P-58)

大腸菌 Csr システムにおける CsrB RNA の分解過程の解析

○阿部葉月 1、天木拓海 2、伊藤 学 1、杉本華幸 1,2、渡邊剛志 1,2、鈴木一史 1,2

1) 新潟大院・自然科学、2) 新潟大・農・応生化

1St1-23 (1P-56)

ウェルシュ菌バイオフィルムマトリクスオペロンの同定

○尾花 望、中村幸治、野村暢彦

筑波大学生命環境系

1St1-24 (1P-52)

比較ゲノムによる細胞内共生細菌における転写エラーを利用した遺伝子発現制御システムの検証

○金城幸宏 1,3、徳田 岳 2、本郷裕一 1,3、大熊盛也 3

1) 東京工業大学 大学院生命理工学研究科、2) 琉球大学 熱帯生物圏研究センター、

3) 理化学研究所バイオリソースセンター 微生物材料開発室

1St1-25 (1P-50)

病原性大腸菌 O157 株特異的 non-coding RNA Esr41 の in vitro 解析

○森 恭平 1、組田恵里 1、須藤直樹 2、伊豫田淳 3、関根靖彦 2、安藤昭一 1、
相馬亜希子 1

1) 千葉大・園芸、2) 立教大・理、3) 感染研・細菌第一部

3月7日(土) 17:05-17:57

2St2-01 (2P-58)

寄生性原虫トリパノソーマの進化的起源

—多様な原核生物からの水平伝播遺伝子の探索—

○福澤玲奈 1,2、松井 求 3、富田 勝 1,2、板谷光泰 1,2

1) 慶大・先端生命研、2) 慶大・政策・メディア・先端生命、3) 東大・理学系研究科

2St2-02 (2P-54)

油脂酵母 *Rhodosporidium toruloides* の油脂生産機構の解析

○志田洋介 1、宮田淳史 1、通野和人 1、山崎晴丈 2、正木和夫 3、森 一樹 4、
久原 哲 4、高久洋暁 2、小笠原 渉 1

1) 長岡技科大・生物、2) 新潟薬大・応生科、3) 酒類総研、4) 九大院農・生資源

2St2-03 (2P-17)

枯草菌 NonA によるフェージ不稔感染に関与する遺伝子の探索と解析

○山本達也 1、尾花 望 1、兼崎 友 2、大竹留未 2、吉川博文 2,3、野村暢彦 1、中村幸治 1

1) 筑波大・生命環境系、2) 東京農大・ゲノム解析セ、3) 東京農大・応生科・バイオ

2St2-04 (2P-16)

枯草菌染色体上に存在する SP β プロフェージの secondary attB site の解析

○高松拓夫 1、河野裕太 1、安部公博 2、佐藤 勉 1,2

1) 法政大院 理工、2) 法政大 マイクロ・ナノテク

2St2-05 (2P-18)

SMC 蛋白質複合体の変異体解析

○鎌田勝彦 1、宮田真人 2、平野達也 1

1) 理研、2) 大阪市大・理

2St2-06 (2P-21)

シアノバクテリアにおける増殖相に依存したゲノムコピー数制御機構

○渡辺 智 1、大林龍胆 1、兼崎 友 2、齋藤菜摘 3、千葉櫻拓 1、曾我朋義 3、吉川博文 1

1) 東京農大・応生科・バイオ、2) 東京農大・NGRC、3) 慶応大・先端生命研

2St2-07 (2P-28)

口腔細菌叢メタゲノム解析における DNA 抽出方法の検討

○山岸潤也 1、佐藤行人 2、山下理宇 2、篠崎夏子 2、長崎正朗 2、坪井明人 2

1) 北海道大学 人獣共通感染症リサーチセンター、

2) 東北大学 東北メディカル・メガバンク機構

2St2-08 (2P-24)

唾液の概日周期とその安定性

○高安伶奈 1、須田 互 1、小鳥遊景泰 1、飯岡恵里香 1、木内美沙 1、黒川李奈 1、進藤智絵 1、服部恭江 1、山下直子 1、金 相完 1、大島健志朗 1、西嶋 傑 1、高安美佐子 2、高安秀樹 3、服部正平 1

1) 東大・新領域・情報生命、2) 東工大・総理工・知シス、3) SONY CSL

2St2-09 (2P-42)

水素生成型一酸化炭素資化性好熱細菌 *Calderihabitans maritimus* KKC1 のゲノム解析

○大前公保 1、米田恭子 2、福山宥斗 1、吉田天士 1、左子芳彦 1

1) 京大院・農、2) 産総研・生物プロセス

2St2-10 (2P-41)

植物マイクロビオームメタゲノム配列のマッピングによる *Methylobacterium* 属細菌集団の植物種依存性の解析

○南 智之、按田瑞恵、大久保 卓、三井久幸、大坪嘉行、永田裕二、金子貴一、田畑哲之、津田雅孝、南澤 究

東北大院生命

2St2-11 (2P-33)

サンゴにおける共在細菌叢の形成・維持機構の推定

○丸山 徹 1,2、伊藤通浩 2,3、大久保悠介 1、竹山春子 1,2,3

1) 早大・生命医科、2) JST-CREST、3) 早大・ナノ理工

2St2-12 (2P-40)

オーソログ分類表を利用した海底下メタゲノムでの芽胞形成ゲノム頻度の推定

○河合幹彦 1、内山郁夫 2、高見英人 3、稲垣史生 1

1) 海洋機構・高知コア研、2) 基生研、3) 海洋機構・海洋・極限環境生物

2St2-13 (2P-36)

地下水中の微生物群集に対する地下温度変化の影響

○大久保智司 1,2、斎藤健志 1,2、江上亮太 3、林大和 3、柳沼孟 3、小松登志子 1,2、大西純一 1,2

1) 埼玉大院・理工、2) JST・CREST、3) 埼玉大・理

2St2-14 (2P-38)

汽水湖に生息する孔径 0.22 μm フィルターを通過可能な細菌の解析

○福田洸平 1、沼田 充 2、三浦隆匡<Sup 2、久志本晃弥 3、山副敦司 2、藤田信之 2、金原和秀 1,3、新谷政己 1,3

1) 静大・創造科技院、2) NITE、3) 静大・工

2St2-15 (2P-39)

Single-cell analytical approaches to define producers of natural compounds from marine sponges

○Tetsushi Mori¹、Micheal C. Wilson²、Rimi Miyaoka¹、Masahiro Ando¹、Hiro-o Hamaguchi¹、Shigeki Matsunaga³、Joern Piel²、Haruko Takeyama¹

1) Waseda Univ., 2) ETH Zurich, 3) Tokyo Univ.

2St2-16 (2P-37)

サンゴ共生細菌群の遺伝的特性

○伊藤通浩 1,2、大久保悠介 2,3、丸山 徹 2,3、新里宙也 2,4、五斗 進 2,5、藤渕 航 2,6、竹山春子 1,2,3

1) 早大・ナノ理工、2) JST-CREST、3) 早大・生命医科、4) OIST・マリンゲノミックス、5) 京大・化研、6) 京大・CiRA

2St2-17 (2P-44)

ベンゾトリフルオリドを新規フッ素化合物へと変換する微生物の解析

○矢野憲一、岩井伯隆、和地正明

東工大院・生命理工・生物プロセス

2St2-18 (2P-43)

芳香族化合物分解コンソーシアムに存在する分解菌と非分解菌の関係

○小川なつみ、加藤広海、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝

東北大学大学院生命科学研究所

2St2-19 (2P-47)

ウイルス核酸種4種の同時分画及び dsRNA メタゲノム手法の確立

○浦山俊一 1、吉田（高島）ゆかり 2、吉田光宏 2、高木善弘 1,2、高井 研 2、布浦拓郎 1

1) JAMSTEC 海洋生命理工学研究開発センター、

2) JAMSTEC 深海・地殻内生物圏研究分野

2St2-20 (2P-48)

ドロップレットを利用した微生物培養を経ない酵素探索法の開発

○中村和貴 1、飯塚 怜 1、吉田尊雄 2、秦田勇二 2、高木善弘 2、西 真郎 2、井口彩香 3、
尹 棟鉉 3、関口哲志 3、庄子習一 3、船津高志 1

1) 東大・院薬、2) 海洋研究開発機構、3) 早大・理工

2St2-21 (2P-50)

メタゲノム用 de novo アセンブリ・クラスタリングツール MetaPlatanus の開発

○梶谷 嶺 1、野口英樹 2、桑原知己 3、小椋義俊 4、林 哲也 4、

伊藤武彦 1

1) 東工大院・生命理工、2) 遺伝研、3) 香川大・医学部、4) 宮崎大・フロンティア

2St2-22 (2P-06)

枯草菌における 3'→5' エキソヌクレアーゼドメインを持つ新規遺伝子の変異解析

○明石基洋、吉川博文

東京農大・応生科・バイオ

2St2-23 (2P-05)

枯草菌 168 株における納豆菌挿入配列 IS256Bsu1 の挙動解析

○原田翔太 1、明石基洋 1、志波 優 2、吉川博文 1・2

1) 東京農大・応生科・バイオ、2) 東京農大・ゲノム解析セ

2St2-24 (2P-04)

海洋性細菌 *Vibrio alginolyticus* VIO5 株のゲノム構造解析

○稲葉啓太 1、上坂一馬 2、西岡典子 3、本間道夫 3、井原邦夫 1

- 1) 名古屋大学・遺伝子実験施設、2) 名古屋大学大学院・生命農学研究科、
- 3) 名古屋大学大学院・理学研究科

2St2-25 (2P-11)

マメ科野生集団の分散に伴う根粒菌共生アイランドの水平伝播

○高梨功次郎 1、池田 啓 2、瀬尾直登 1、佐藤修正 3、矢崎一史 1

- 1) 京都大・生存研、2) 岡山大・植物研、3) 東北大・院生命科学

2St2-26 (2P-15)

Geminocystis 属シアノバクテリアに見られる補色応答能の違い

○広瀬 侑 1,4、片山光徳 2、大坪嘉行 3、三澤直美 4、飯岡恵里香 5、須田 亙 5、大島健志朗 5、華岡光正 6、田中 寛 7、浴俊彦 1、池内昌彦 8、服部正平 5

- 1) 豊橋技科大・環境生命工学、2) 日本大・生産工学、3) 東北大・院・生命科学、4) 豊橋技科大・EIIRIS、5) 東京大・院・新領域、6) 千葉大・院・園芸、7) 東工大・資源研、
- 8) 東京大・院・総合文化