

ポスター発表

※イタリック・上付文字・下付文字等は反映されておりません。

討論タイム 1P 奇数番号：3月6日（金）17:25－18:10

1P 偶数番号：3月7日（土）11:00－11:45

《ゲノム情報の活用、ゲノム育種》

1P-01

IS3 family 挿入配列 ISBlo11 を用いたビフィズス菌のトランスポゾン変異導入系の確立

○阪中幹祥, 横田 篤, 吹谷 智

北大院農・応生科

1P-02

油脂生産性緑藻 *Pseudococcomyxa* sp. KJ 株における形質転換と導入遺伝子発現系の開発

○阿部 淳 1、井出曜子 1、高木さつき 1、今村壮輔 2、原山重明 3

1) 中央大・研究開発機構、2) 東工大・資源研、3) 中央大・理工生命

1P-03 (1O1-03)

ゲノム編集技術を用いた *Pseudococcomyxa ellipsoidea* Obi 株のデンプン合成遺伝子のノックアウトとノックアウト株の特徴付け

○高橋啓太 1、吉満勇也 2、福原いずみ 1、原山重明 1

1) 中央大・理工生命、2) 株式会社デンソー

1P-04

酢酸菌 *Komagataeibacter medellinensis* NBRC 3288 株のセルロース非生産株から生産株への復帰機構の解明

○松谷峰之介 1、伊藤光平 1、東 慶直 2、荻野英賢 3、白井睦訓 3、薬師寿治 1、松下一信 1

1) 山口大・農・生物機能、2) 近畿大・生物理工、3) 山口大医・ゲノム

1P-05 (1St-01)

アラレマイシン生産菌の2つの ALA 合成酵素ホモログの機能解析

○森 ひかる、岩井伯隆、和地正明

東京工業大学大学院 生命理工学研究科 生物プロセス専攻

1P-06 (1St-02)

放線菌 *Actinoplanes missouriensis* の胞子嚢の開裂に必要な遺伝子の RNA-Seq による探索

○安田理沙、毛利佳弘、手塚武揚、大西康夫

東大院・農生科・応生工

1P-07

日本で分離されたヨーネ菌の全ゲノムリシーケンスによる解析法の検討

○西森 敬、國保健浩、永田礼子、川治聡子、森 康行

農研機構・動物衛生研究所

《合成生物学》

1P-08 (1St-03)

合成生物学の申し子“シアノバチルス”の転写装置起動の試み

○細村匡太郎 1、渡辺 智 1、兼崎 友 2、板谷光奏 3、吉川博文 1

1) 東京農大・応生科・バイオ、2) 東京農大・NGRC、3) 慶応大・先端生命研

1P-09 (1O1-05)

リボソーム改変による大腸菌の高温適応進化

○佃 美雪 1,2、宮崎健太郎 1,2

1) 東大院、新領域、メディカルゲノム、2) 産総研、生物プロセス

1P-10 (1St-04)

合成生物学の展開に向けた光応答性大腸菌の創成

○岡 駿佑、堀楨佑子、杉江よしみ、大塚北斗、饗場浩文

名古屋大院・創薬・分子微生物

《その他》

1P-11

Heterogeneity of Gene Expression and Growth at the Single-Cell Level

○Mikihiro Hashimoto¹、Reiko Okura¹、Sayo Akiyoshi¹、Yuichi Wakamoto²

1) Department of Basic Science, Graduate School of Arts and Sciences, The University of Tokyo, 3-8-1, Komaba, Meguro-Ku, Tokyo, JAPAN, 153-8902

2) Center for Complex Systems Biology, Graduate School of Arts and Sciences, The University of Tokyo, 3-8-1,

1P-12

大腸菌の染色体広域欠失変異を用いた生育に重要な遺伝子群の解析

○萩原 進、加藤潤一

首都大院・理工・生命

1P-13 (1St-05)

ミヤコグサ根粒菌用分子遺伝学ツール・セットの開発

○大澤美芙、窪田和奈、新庄莉奈、佐伯和彦

奈良女子大・院人間文化・生物科学

1P-14

日本の高山環境における根粒菌の宿主特異性

○瀬尾直登, 高梨功次郎, 矢崎一史

京都大・生存圏研究所

1P-15

トランスポゾン挿入により得られたアブラナ科植物黒腐病菌 ATCC33913 株の病原性変異株の解析

○藁科昌倫 1、安西弘行 2、古谷綾子 2

1) 茨城大学大学院農学研究科、2) 茨城大学遺伝子実験施設

1P-16

Pseudoxanthomonas mexicana WO24 のオリゴペプチド分解システムの解析とゲノム解析

○鈴木義之、儀武菜美子、志田洋介、福田雅夫、小笠原 渉

長岡技科大・生物

1P-17 (1O1-06)

紅色光合成細菌 *Rhodovulum sulfidophilum* DSM1374 株および DSM2351 株のゲノム配列解析とその比較

○長尾信義 1、広瀬 侑 1、梅影創 1、菊池 洋 1,2

1) 豊橋技大・工、2) 早大・TWINS

1P-18 (1St-07)

枯草菌 ferredoxin-NADP⁺酸化還元酵素と ferredoxin 間の電子伝達反応の速度論解析に基づく反応機構

○瀬尾悌介 1、櫻井英博 2、Pierre Sétif³、櫻井 武 1

1) 金沢大・理工・物質化学、2) 神奈川大・光合成水素生産研、3) CEA, iBiTecS, France

1P-19

枯草菌 *Bacillus subtilis* のコドン認識能の解析

○坂田恵理 1、高地 司 2、安藤昭一 2、相馬亜希子 2

1) 千葉大、園芸学部、2) 千葉大、大学院園芸学研究科

1P-20

カルチャーコレクション間の同一由来菌株のゲノムの比較

○桜井健太、下平 潤、三浦隆匡、細山 哲、黄地祥子、荒木光孝、土金恵子、沼田 充、野口正宏、橋本麻衣子、平方里美、山副敦司、藤田信之

NITE・NBRC

1P-21

細菌性髄膜炎疑い患者由来の髄液における微生物遺伝子検出手法の検討

○佐々木裕子、久保田真由美、柴山恵吾

感染研、細菌二

1P-22 (1St-06)

フェノミクスによる遺伝子機能の決定

○ Turner Peter¹、小川 博¹、Bochner Barry²

1) 株式会社セントラル科学貿易 東京、2) Biolog Inc、USA

1P-23 (1St-08)

アラレマイシンのマラリア原虫 *Plasmodium falciparum* 由来 PBGS に対する阻害活性の評価

○矢野寛明、松尾智彰、奥 純平、中山恭介、岩井伯隆、和地正明

東工大院・生命理工・生物プロセス

《バイオインフォマティクス》

1P-24 (1St-09)

真核生物反復配列データベース Repbase

○小島健司^{1,2}、Weidong Bao¹、Jerzy Jurka¹

1) Genetic Information Research Institute、2) 東大院・新領域

1P-25 (1St-10)

複数プラットフォームのデータを用いた *de novo* ハイブリッドアセンブリに関する検討

○斎藤賢治、宮本真理

株式会社キアゲン・アプライドアドバンストゲノミクス

1P-26

次世代シーケンサー由来のリード処理ツール: ShortReadManager

○大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝

東北大学大学院生命科学研究科

1P-27

Gef-seq に対応したマッピングプログラムおよび GUI の開発

松本秀太、○中村建介

前橋工科大学・生命情報学科

1P-28 (1St-11)

Genome Refine: 自動ゲノムアノテーション統合環境を提供するウェブサービス

○藤澤貴智 1、森 宙史 2、岡本忍 3、山本泰智 3、片山俊明 3、川島 秀一 3、谷澤靖洋 1、神沼英里 1、大山彰 4、菅原秀明 1、内山郁夫 5、黒川顕 2、中村保一 1

1) 遺伝研・生命情報研究センター、2) 東工大・生命理工、3) DBCLS、4) インシリコバイオロジー株式会社、5) 基生研・理論生物学領域

1P-29

リード方向を考慮した新規 indel 検出方法

○上坂一馬 4、河野 央 3、寺内一姫 3、藤田祐一 1、井原邦夫 4、小俣達男 4

1) 名古屋大、大学院生命農学研究科、2) 名古屋大学、遺伝子実験施設、
3) 立命館大学、生命科学部、4) JST-CREST

1P-30 (1St-15)

新機能を搭載した生理・代謝機能評価システム MAPLE 2.0.0.

○荒井 渉 1、谷口丈晃 2、五斗 進 3、高見英人 1

1) 海洋機構・資源、2) 三菱総研・人間、3) 京大・化研

1P-31

培養培地オントロジー-GMO の開発

○川島秀一、岡本 忍

情報・システム研究機構 ライフサイエンス統合データベースセンター

1P-32

細菌群集構造可視化ツール「VITCOMIC2」

森 宙史 1、○丸山貴之 1、矢野雅大 1、山田拓司 1、黒川 顕 1, 2

1) 東工大・生命理工・生命情報、2) 東工大・地球生命研究所

1P-33

微生物統合データベースの超高度化推進のための微生物の生息環境オントロジーと解析アプリケーションの開発

○鈴木真也 1、山本 希 1、森 宙史 1、黒川 顕 1,2

1) 東工大・生命理工・生命情報、2) 東工大・地球生命研究所

1P-34

GPU を用いたメタゲノム解析のための大規模配列相同性検索ツール CLAST の開発

○矢野雅大 1、森 宙史 1、秋山 泰 2、山田拓司 1、黒川 顕 1,3

1) 東工大・生命理工・生命情報、2) 東工大・計算工学、3) 東工大・地球生命研究所

1P-35

自動クラスタ抽出法のメタゲノム配列解析への応用

○石田恭平、阿部貴志

新潟大学大学院自然科学研究科

1P-36 (1St-14)

メタゲノム解析における歯垢試料の影響の評価指標について

○篠崎夏子 1,2、山岸潤也 3、佐藤行人 2、長崎正朗 2、坪井明人 2、山下 理宇 2

1) 東北大 医学系研究科、2) 東北大 ToMMo、3) 北大 人獣共センター

1P-37

バイオフィルム形成能プロファイリングを目的としたコロニーの高効率呈色定量解析技術の開発

○眞喜志 一、森 浩禎

奈良先端大・バイオサイエンス

1P-38 (1St-12)

全ゲノム配列情報を用いた近縁菌株の迅速高精度系統解析手法の開発：病原菌感染経路推測への応用

○吉村 大 1、後藤恭宏 2、小椋義俊 3、林哲也 3、伊藤武彦 1

1) 東工大・生命理工、2) 宮崎大・医学部、3) 宮崎大・フロンティア科学実験総合センター

1P-39

大規模ゲノム解析のための自己圧縮 BLSOM の開発

○菊地亮仁 1、金谷重彦 2、池村淑道 3、阿部貴志 1

1) 新潟大院・自然科学、2) 奈良先端大、3) 長浜バイオ大

1P-40

極限環境適応における微生物ゲノムの進化過程の解明

○吉田朋央 1、池村淑道 2、阿部貴志 1

1) 新潟大院・自然科学、2) 長浜バイオ大

1P-41

An RNA-Guided Platform for the Genetic interaction Analysis involving essential genes in *E. coli* K-12

○Xi Yang、 Katsushi Yokoyama and Hirotada Mori

奈良先端大・バイオサイエンス

1P-42

相対エントロピーによる水平伝播候補領域検出法の開発

○船山俊介 1、中尾 亮 2、杉本千尋 2、阿部貴志 1

1) 新潟大院・自然科学、2) 北大・人獣

1P-43 (1O2-03)

バクテリア 16S rRNA 遺伝子の進化

○佐藤允治 1,2、宮崎健太郎 1,2

1) 東大院・新領域、2) 産総研・生物プロセス

1P-44 (1O2-04)

Efficient inference of recombination hot regions in bacterial genomes (細菌ゲノム上の相同組換えのホット領域を効率的に推定する新規手法の開発)

○Koji Yahara^{1,2*}、Xavier Didelot³、M. Azim Ansari⁴、Samuel K. Sheppard²、and Daniel Falush⁵

1) Univ. Tokyo、2) Swansea Univ.、3) Imperial College London.、4) Univ. Oxford、

5) Max Planck Institute、 *Kurume Univ.

1P-45

2ndFind: a Web-Based Support Tool to Find Secondary Metabolite Biosynthetic Gene Cluster

○石川 淳、星野泰隆

国立感染研・真菌部

1P-46 (1O2-02)

異種交配株ラガービール酵母と近縁種のゲノム比較解析

○奥野未来 1、児玉由紀子 2、伊藤武彦 1

1) 東工大院・生命理工、2) サントリーグローバルイノベーションセンター

1P-47 (1St-13)

深海酵母 *Cryptococcus liquefaciens* strain N6 のゲノム再構築と RNA-Seq による銅耐性の解析

○森本博也、筒井康博、岩崎博史、伊藤武彦

東工大院・生命理工

1P-48

次世代シーケンサーを用いたヘリコバクターピロリ菌癌性蛋白 CagA に特徴的な変異の検出

○岩本 彰 1、棚橋俊仁 1,2、岡田理菜 1、小川浩史 1、張 菁芸 1、吉田 優 1、東 健 1

1) 神戸大学大学院医学研究科内科学講座消化器内科学分野、2) 神戸薬科大学医療薬学研究室

《遺伝子の発現制御》

1P-49

O157:H7 Sakai 株に存在する non-coding RNA #29 の解析

○満仲翔一 1、須藤直樹 1、相馬亜希子 2、伊豫田 淳 3、大島 拓 4、戸邊 亨 5、関根靖彦 1

1) 立教大・理・生命理学、2) 千葉大・園芸、3) 国立感染症研究所・細菌第一部、

4) 奈良先端大・情報科学、5) 大阪大院・医

1P-50 (1St-25)

病原性大腸菌 O157 株特異的 non-coding RNA Esr41 の in vitro 解析

○森 恭平 1、組田恵里 1、須藤直樹 2、伊豫田淳 3、関根靖彦 2、安藤昭一 1、相馬亜希子 1

1) 千葉大・園芸、2) 立教大・理、3) 感染研・細菌第一部

1P-51

大腸菌の増殖停止・再開と RNA-seq 解析

○牧 泰史 1、大塚悠太 2、上田雅美 3、和田 明 3、古池 晶 1、吉田秀司 1、中東憲治 4、森 浩禎 2,4

1) 大阪医大・物理、2) 奈良先端・生体情報、3) 吉田生物研究所、4) 慶應・先端生命

1P-52 (1St-24)

比較ゲノムによる細胞内共生細菌における転写エラーを利用した遺伝子発現制御システムの検証

○金城幸宏 1,3、徳田 岳 2、本郷裕一 1,3、大熊盛也 3

1) 東京工業大学 大学院生命理工学研究科、2) 琉球大学 熱帯生物圏研究センター、

3) 理化学研究所バイオリソースセンター 微生物材料開発室

1P-53 (1St-16)

枯草菌 α オペロンの構造と発現の解析

○白川文教、池田宗太郎、朝井 計

埼玉大・理工学研究科

1P-54 (2O3-05)

枯草菌 SigI の制御における糖脂質の役割

○松岡 聡 1、野辺加織 2、松本幸次 1、原 弘志 1

1) 埼玉大院・理工研、2) 埼玉大・理・分子生物

1P-55

Post-transcriptional regulation of SinI/SinR/SlrR by degU in *Bacillus subtilis*

Abe K1, Sato T1, 2, and ○Ogura M3

1) Res. Center for Micronano Tech., Hosei Univ., 2) Frontier Biosci., Hosei Univ.,

3) Inst. of Oceanic Res. and Development., Tokai Univ.

1P-56 (1St-23)

ウェルシュ菌バイオフィルムマトリクスオペロンの同定

○尾花 望、中村幸治、野村暢彦

筑波大学生命環境系

1P-57 (2O3-07)

16S rRNA プロセッシングに関する大腸菌必須遺伝子 *yqgF* の解析

○倉田竜明、橋本昌征、古屋伸久、加藤潤一

首都大院・理工・生命

1P-58 (1St-22)

大腸菌 Csr システムにおける CsrB RNA の分解過程の解析

○阿部葉月 1、天木拓海 2、伊藤 学 1、杉本華幸 1,2、渡邊剛志 1,2、鈴木一史 1,2

1) 新潟大院・自然科学、2) 新潟大・農・応生化

1P-59

緑色硫黄細菌におけるシアノバクテリア時計遺伝子の異種発現

○横井川侑大、浅井智広、寺内一姫

立命館大・生命科学

1P-60 (1St-21)

大腸菌におけるシアノバクテリア時計遺伝子の発現とその制御解析

○水谷直哉、松田宏矢、安部さゆり、浅井智広、寺内一姫

立命館大・生命科学

1P-61

ラン藻 *Anabaenasp.* PCC7120 における遺伝子発現制御系の開発

○肥後明佳 1,2、井須敦子 1,2、深谷佑紀 1,2、久堀 徹 1,2

1) 東工大・資源研、2) JST・CREST

1P-62

シアノバクテリア *Anabaena sp.* PCC 7120 のヘテロシスト分化における転写制御因子 DevH の機能解析

○栗尾洋平、得平茂樹

首都大院・理工・生命

1P-63 (1St-20)

シアノバクテリア *Synechocystis sp.* PCC6803 の脂質輸送に関与する遺伝子の環境ストレス条件下における転写解析

○田原寛子 1、松橋 歩 1、内山純爾 2、小川 覚 3、太田尚孝 1,2

1) 東理大・理、2) 東理大・総研・RNA、3) 三重大・医・電顕室

1P-64

酸性ストレス条件下におけるシアノバクテリア *Synechocystis sp.* PCC 6803 のフィコビリソーム形成に関与する遺伝子の転写解析

○内山純爾 1、船水健斗 2、兼崎 友 3、吉川博文 4、太田尚孝 1,2

1) 東理大・総研・RNA、2) 東理大・理、3) 東農大・NGRC、4) 東京農大・応生化・バイオ

1P-65 (1St-19)

Synechocystis sp. PCC6803 の Lipid A トランスポーターホモログは酸性ストレス耐性に関与する

○松橋 歩 1、田原寛子 1、伊藤雄太郎 2、内山純爾 3、小川 覚 4、太田尚孝 1,3

1) 東理大・理、2) 東理大・基礎工、3) 東理大・総研・RNA、4) 三重大・医・電顕室

1P-66 (1St-18)

土壌細菌 *Burkholderia multivorans* ATCC17616 株における Fur の機能及び発現制御機構の解析

○佐藤拓哉、木村明音、湯原悟志、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝

東北大・院生命

1P-67 (1St-17)

異なる環境シグナルを認識するふたつの二成分制御系 YedV/W, CusS/R による標的遺伝子発現の協調制御

○浦野浩行 1、石浜 明 2、小笠原 寛 1

1) 信州大・ヒト環境研究セ、2) 法政大・マイクロ・ナノテク研究セ

1P-68 (201-03)

BldD は希少放線菌 *Actinoplanes missouriensis* の孢子嚢形成を制御する

○毛利佳弘、小西健司、手塚武揚、大西康夫

東大院・農生科・応生工

1P-69

Rhodococcus 属細菌におけるトレハロース脂質生産制御機構の解析

○稲葉知大 1、菊子拓真 1、中島敏明 2、内山裕夫 2、野村暢彦 2

1) 筑波大学大学院生命環境科学研究科、2) 筑波大学生命環境系

1P-70

比較ゲノム解析を用いた *Trichoderma reesei* における pH 依存的セルラーゼ生産機構の解析

○平沢大樹、塩屋幸樹、志田洋介、小笠原 渉

長岡技術科学大学・生物

《その他》

1P-71

ジャガイモ病原性 *Pseudomonas* sp. StFLB209 株の quorum sensing 関連遺伝子の特定および機能解析

○加藤太朗 1、諸星知広 1、染谷信孝 2、池田 幸 1

1) 宇都宮大・工、2) 農研機構

討論タイム 2P 奇数番号：3月7日（土）18:05－18:50

2P 偶数番号：3月8日（日）13:10－13:55

《ゲノムの構造と進化》

2P-01

O121, O145, O165 EHEC のゲノム解析および同一血清型内における菌株間比較ゲノム解析

○村瀬一典 1、小椋義俊 1, 2、大岡唯祐 2、後藤恭宏 2、桂 啓介 1、林 哲也 1, 2

1) 宮崎大・フロンティア、2) 宮崎大・医・微生物

2P-02

大腸菌の染色体大規模欠失株を用いた合成致死遺伝子群の解析から同定された DNA 修復に関与する新規機能未知遺伝子の解析

○渡邊圭佑、富永賢人、北村麻衣子、加藤潤一

首都大院・理工・生命

2P-03 (3O5-07)

大腸菌の細胞サイズの定向進化

○津留三良

大阪大学大学院 情報科学研究科

2P-04 (2St-24)

海洋性細菌 *Vibrio alginolyticus* VIO5 株のゲノム構造解析

○稲葉啓太 1、上坂一馬 2、西岡典子 3、本間道夫 3、井原邦夫 1

- 1) 名古屋大学・遺伝子実験施設、
- 2) 名古屋大学大学院・生命農学研究科、
- 3) 名古屋大学大学院・理学研究科

2P-05 (2St-23)

枯草菌 168 株における納豆菌挿入配列 IS256Bsu1 の挙動解析

○原田翔太 1、明石基洋 1、志波 優 2、吉川博文 1・2

- 1) 東京農大・応生科・バイオ、
- 2) 東京農大・ゲノム解析セ

2P-06 (2St-22)

枯草菌における 3'→5' エキソヌクレアーゼドメインを持つ新規遺伝子の変異解析

○明石基洋、吉川博文

東京農大・応生科・バイオ

2P-07

Genome Footprinting (GeF-seq) revealed distinct binding specificities of IhfA and IhfB homomer and heteromer in vivo

○Onuma Chumsakul1、Kensuke Nakamura2、Naotake Ogasawara1、Shu Ishikawa1、Taku Oshima1、

- 1) Nara Institute of Science & Technology, 2) Maebashi Institute of Technology

2P-08

放線菌接合伝達性線状プラスミド SAP1 の解析

○遠藤翔太 1、池田治生 2、片岡正和 1

- 1) 信州大院・理工・環境機能工、
- 2) 北里大・北里生命研

2P-09

タンパク高生産放線菌のゲノム変異解析

○中村聡子 1、廣瀬修一 2、西岡雅都 3、柏木紀賢 3、曾田匡洋 2・荻野千秋 1,3、近藤昭彦 1,3

- 1) 神戸大院・工・応化、
- 2) 長瀬産業、
- 3) 神戸大・自然

2P-10

Aminobacter 属に属するミヤコグサ根粒菌のゲノム解析

○眞板寛子 1、王 明卓 1、窪田和奈 2、平川英樹 1,3、佐伯和彦 2、佐藤修正 1

- 1) 東北大学大学院・生命科学研究科、2) 奈良女子大学・理学部、
3) かずさ DNA 研究所・ゲノム情報解析グループ

2P-11 (2St-25)

マメ科野生集団の分散に伴う根粒菌共生アイランドの水平伝播

○高梨功次郎 1、池田 啓 2、瀬尾直登 1、佐藤修正 3、矢崎一史 1

- 1) 京都大・生存研、2) 岡山大・植物研、3) 東北大・院生命科学

2P-12 (3O5-06)

rRNA 遺伝子オペロンが 9-10 kb レプリコンのみに存在するゲノム構造をもつ細菌の系統分布

○按田瑞恵、大坪嘉行、三井久幸、大久保卓、菅原雅之、永田裕二、津田雅孝、南澤 究

東北大院・生命科学

2P-13

クラスター化した代謝酵素遺伝子群の導入による有機塩素系殺虫剤 gamma-HCH 分解細菌の分子育種

○荷川取 佑記、宮崎 亮、古屋佑磨、大畑智史、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝

東北大院・生命

2P-14 (3O5-9)

陸域から採取されたシアノバクテリア *Leptolyngbya* sp. NIES-2104 の遺伝的特徴

○志村遥平 1、広瀬 侑 2、三澤直美 2、長名保範 3、加藤 浩 4、山口晴代 1、河地正伸 1

- 1) 国環研、2) 豊橋技科大、3) 琉球大、4) 三重大

2P-15 (2St-26)

Geminocystis 属シアノバクテリアに見られる補色応答能の違い

○広瀬 侑 1,4、片山光徳 2、大坪嘉行 3、三澤直美 4、飯岡恵里香 5、須田 亙 5、大島健志朗 5、華岡光正 6、田中 寛 7、浴俊彦 1、池内昌彦 8、服部正平 5

- 1) 豊橋技科大・環境生命工学、2) 日本大・生産工学、3) 東北大・院・生命科学、4) 豊橋技科大・EIIRIS、
5) 東京大・院・新領域、6) 千葉大・院・園芸、7) 東工大・資源研、8) 東京大・院・総合文化

《細胞増殖と分化の分子機構》

2P-16 (2St-04)

枯草菌染色体上に存在する SPβ プロファージの secondary attB site の解析

○高松拓夫 1、河野裕太 1、安部公博 2、佐藤 勉 1,2

- 1) 法政大院 理工、2) 法政大 マイクロ・ナノテク

2P-17 (2St-03)

枯草菌 NonA によるフェージ不稔感染に関与する遺伝子の探索と解析

○山本達也 1、尾花 望 1、兼崎 友 2、大竹留未 2、吉川博文 2, 3、野村暢彦 1、中村幸治 1

1) 筑波大・生命環境系、2) 東京農大・ゲノム解析セ、3) 東京農大・応生科・バイオ

2P-18 (2St-05)

SMC 蛋白質複合体の変異体解析

○鎌田勝彦 1、宮田真人 2、平野達也 1

1) 理研、2) 大阪市大・理

2P-19

SepF は Z リングを細胞膜に結合させる

○石川 周 1、Ramona Duman²、Ilkay Celik³、Henrik Strahl³、Naotake Ogasawara¹、Paulina Troc²、Jan Löwe² and Leendert W. Hamoen³

1) 奈良先端大・バイオ、2) MRC 分子生物学研究所、3) Newcastle 大

2P-20

根粒菌の鉄・硫黄タンパク質生合成因子が植物共生に果たす役割

○三井久幸

東北大・院生命科

2P-21 (2St-06)

シアノバクテリアにおける増殖相に依存したゲノムコピー数制御機構

○渡辺 智 1、大林龍胆 1、兼崎 友 2、齋藤菜摘 3、千葉櫻拓 1、曾我朋義 3、吉川博文 1

1) 東京農大・応生科・バイオ、2) 東京農大・NGRC、3) 慶応大・先端生命研

2P-22 (3O4-02)

シアノバクテリアにおける DnaA による明暗周期での DNA 複製制御

○大林龍胆 1,2、中町 愛 1、渡辺 智 1、吉川博文 1,2

1) 東京農大・応生科・バイオ、2) CREST

2P-23

Identification of APC/CCdc20-regulated proteins at the metaphase-anaphase transition

○P. C. Tsai¹、K.Y. Chien²、S.C. Schuyler¹

1) Dept. of Biomedical Sciences, Chang Gung Uni., Taiwan、2) Molecular Medicine Research Center, Dept. of Biochemistry and Molecular Biology, Chang Gung Uni., Taiwan

《メタゲノム、環境微生物》

2P-24 (2St-08)

唾液の概日周期とその安定性

○高安伶奈 1、須田 互 1、小鳥遊景泰 1、飯岡恵里香 1、木内美沙 1、黒川李奈 1、進藤智絵 1、服部恭江 1、山下直子 1、金 相完 1、大島健志朗 1、西嶋 傑 1、高安美佐子 2、高安秀樹 3、服部正平 1

1) 東大・新領域・情報生命、2) 東工大・総理工・知シス、3) SONY CSL

2P-25

唾液細菌叢のサーカディアンリズム

○須田 互 1,2、高安伶奈 1、小鳥遊景泰 1、飯岡恵里香 1、木内美沙 1、黒川李奈 1、小宮恵子 1、進藤智絵 1、服部恭江 1、山下直子 1、西嶋 傑 1、金相完 1、大島健志朗 1、服部正平 1

1) 東京大学大学院・新領域創成科学研究科、2) 慶応義塾大学・医学部

2P-26

ヒト口腔細菌叢の日内変動性

○佐藤行人 1、山岸潤也 2、山下理宇 1、篠崎夏子 1、長崎正朗 1、坪井明人 1

1) 東北大学 東北メディカル・メガバンク機構、2) 北海道大学 人獣共通感染症リサーチセンター

2P-27 (3O4-10)

歯垢と舌苔が唾液の細菌構成に与える影響

○影山伸哉、竹下 徹、柴田幸江、山下喜久

九大・院歯・口腔予防医学

2P-28 (2St-07)

口腔細菌叢メタゲノム解析における DNA 抽出方法の検討

○山岸潤也 1、佐藤行人 2、山下理宇 2、篠崎夏子 2、長崎正朗 2、坪井明人 2

1) 北海道大学 人獣共通感染症リサーチセンター、2) 東北大学 東北メディカル・メガバンク機構

2P-29 (3O4-09)

ヒト腸内細菌叢の国特異的構造の発見とその形成要因の解明

○西嶋 傑 1、大島健志朗 1、金 錫元 2、須田 互 1、飯岡恵里香 1、木内美沙 1、進藤智絵 1、山下直子 1、小宮恵子 1、森田英利 3、服部正平 1

1) 東大院・新領域、2) RIKEN・IMS、3) 麻布大・獣医

2P-30

炎症性腸疾患における炎症制御細菌の探索

○飯田宗穂、金子周一

金沢大・革新

2P-31

高速シーケンサーを活用した土壌微生物解析システム

○江上香理、佐藤 幸、山田浩一郎、張 捷、飯田一雄、山田智之
Genomedia 株式会社

2P-32

移植された土壌微生物の定着過程と、その安定性について

○加藤広海 1、森 宙史 2、丸山史人 3、永山浩史 1、大坪嘉行 1、永田裕二 1、黒川 顕 2、津田雅孝 1
1) 東北大院生命、2) 東工大院生命理工、3) 京大院医

2P-33 (2St-11)

サンゴにおける共在細菌叢の形成・維持機構の推定

○丸山 徹 1,2、伊藤通浩 2,3、大久保悠介 1、竹山春子 1,2,3
1) 早大・生命医科、2) JST-CREST、3) 早大・ナノ理工

2P-34

富山湾底泥中の細胞外プラスミドの分離

○中野椋太 1*、○宮西謙弥 1*、山内健太 1、高橋裕里香 1、畠 俊郎 2、西田洋巳 1 (*equal contribution)
1) 富山県立大学・生物工学科、2) 富山県立大学・環境工学科

2P-35

八郎湖における微生物群集構造の周年解析

○浅野亮樹、岡野邦宏、小林弥生、志村洋一郎、福島 淳
秋田県大・生資

2P-36 (2St-13)

地下水中の微生物群集に対する地下温度変化の影響

○大久保智司 1,2、斎藤健志 1,2、江上亮太 3、林大和 3、柳沼孟 3、小松登志子 1,2、大西純一 1,2
1) 埼玉大院・理工、2) JST・CREST、3) 埼玉大・理

2P-37 (2St-16)

サンゴ共在細菌群の遺伝的特性

○伊藤通浩 1,2、大久保悠介 2,3、丸山 徹 2,3、新里宙也 2,4、五斗 進 2,5、藤渕 航 2,6、
竹山春子 1,2,3
1) 早大・ナノ理工、2) JST-CREST、3) 早大・生命医科、4) OIST・マリンゲノミックス、5) 京大・化研、6) 京大・CiRA

2P-38 (2St-14)

汽水湖に生息する孔径 0.22 μm フィルターを通過可能な細菌の解析

○福田洗平 1、沼田 充 2、三浦隆匡 2、久志本晃弥 3、山副敦司 2、藤田信之 2、金原和秀 1,3、新谷政己 1,3

1) 静大・創造科技院、2) NITE、3) 静大・工

2P-39 (2St-15)

Single-cell analytical approaches to define producers of natural compounds form marine sponges

○Tetsushi Mori¹、 Micheal C. Wilson²、 Rimi Miyaoka¹、 Masahiro Ando¹、 Hiro-o Hamaguchi¹、 Shigeki Matsunaga³、 Joern Piel²、 Haruko Takeyama¹

1) Waseda Univ., 2) ETH Zurich, 3) Tokyo Univ.

2P-40 (2St-12)

オーソログ分類表を利用した海底下メタゲノムでの芽胞形成ゲノム頻度の推定

○河合幹彦 1、内山郁夫 2、 高見英人 3、 稲垣史生 1

1) 海洋機構・高知コア研、2) 基生研、3) 海洋機構・海洋・極限環境生物

2P-41 (2St-10)

植物マイクロバイオームメタゲノム配列のマッピングによる *Methylobacterium* 属細菌集団の植物種依存性の解析

○南 智之、按田瑞恵、大久保 卓、三井久幸、大坪嘉行、永田裕二、金子貴一、田畑哲之、津田雅孝、南澤 究

東北大院生命

2P-42 (2St-09)

水素生成型一酸化炭素資化性好熱細菌 *Calderihabitans maritimus* KKC1 のゲノム解析

○大前公保 1、米田恭子 2、福山宥斗 1、吉田天士 1、左子芳彦 1

1) 京大院・農、2) 産総研・生物プロセス

2P-43 (2St-18)

芳香族化合物分解コンソーシアムに存在する分解菌と非分解菌の関係

○小川なつみ、加藤広海、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝

東北大学大学院生命科学研究科

2P-44 (2St-17)

ベンゾトリフルオリドを新規フッ素化合物へと変換する微生物の解析

○矢野憲一、岩井伯隆、和地正明

東工大院・生命理工・生物プロセス

2P-45

未培養好熱性アーキア *Caldiarchaenum* 群集における rRNA 遺伝子及びその周辺領域の多様性

○高木善弘 1、首藤 彩 2、布浦拓郎 2、高井 研 1

1) 海洋研究開発機構・深海地殻内 2) 海洋研究開発機構・生命理工

2P-46

アンプリコンの準備方法が複合微生物群の菌叢評価に与える影響

○三浦隆匡 1、沼田充 1、Punnanee Sumpavapol2、山副敦司 1、藤田信之 1

1) NITE・NBRC、2) Prince of Songkla Univ.

2P-47 (2St-19)

ウイルス核酸種 4 種の同時分画及び dsRNA メタゲノム手法の確立

○浦山俊一 1、吉田（高島）ゆかり 2、吉田光宏 2、高木善弘 1,2、高井 研 2、布浦拓郎 1

1) JAMSTEC 海洋生命理工学研究開発センター、2) JAMSTEC 深海・地殻内生物圏研究分野

2P-48 (2St-20)

ドロップレットを利用した微生物培養を経ない酵素探索法の開発

○中村和貴 1、飯塚 怜 1、吉田尊雄 2、秦田勇二 2、高木善弘 2、西 真郎 2、井口彩香 3、尹 棟鉉 3、関口哲志 3、庄子習一 3、船津高志 1

1) 東大・院薬、2) 海洋研究開発機構、3) 早大・理工

2P-49

BLSOM によるメタゲノム配列群集からのウイルスゲノム検出法の開発

○佐藤研朗 1、池村淑道 2、阿部貴志 1

1) 新潟大・工、2) 長浜バイオ大

2P-50 (2St-21)

メタゲノム用 de novo アセンブリ・クラスタリングツール MetaPlatanus の開発

○梶谷 嶺 1、野口英樹 2、桑原知己 3、小椋義俊 4、林 哲也 4、

伊藤武彦 1

1) 東工大院・生命理工、2) 遺伝研、3) 香川大・医学部、4) 宮崎大・フロンティア

2P-51

GRD: Curated Genomic-based 16S Ribosomal RNA Gene Database

○Seok-Won Kim^{1,2}, Kenshiro Oshima², Wataru Suda², Suguru Nishijima², Todd D. Taylor¹ and Masahira Hattori²

1) Laboratory for Integrated Bioinformatics, RIKEN Center for Integrative Medical Sciences, 1-7-22 Suehiro-cho, Tsurumi-ku, Yokohama, Kanagawa, 230-0045, Japan、 2) Center for Omics and Bioinformatics, The Department of Computational Biology, Graduate School

2P-52

DNA 抽出条件が新型シーケンサーを用いた微生物叢解析結果に及ぼす影響

沼田充¹、三浦隆匡¹、Punnanee Sumpavapo^{1,2}、○山副敦司¹、藤田信之¹

1) NITE・NBRC、 2) Prince of Songkla University

2P-53

油脂生産性緑藻 *Pseudococcomyxa* sp. KJ におけるデンプン合成阻害変異による油脂蓄積量増加

○早川准平、井出曜子、佐藤絵衣子、原山重明

中央大・理工・生命

2P-54 (2St-02)

油脂酵母 *Rhodospiridium toruloides* の油脂生産機構の解析

○志田洋介¹、宮田淳史¹、通野和人¹、山崎晴丈²、正木和夫³、森 一樹⁴、久原 哲⁴、高久洋暁²、小笠原 渉¹

1) 長岡技科大・生物、 2) 新潟薬大・応生科、 3) 酒類総研、 4) 九大院農・生資源

2P-55

真菌類ゲノムに保存される光応答因子の系統樹分析とジャポニカス分裂酵母を用いた機能解析

○岡本 尚¹、古谷寛治²、野崎晋五¹、青木敬太^{1,3}、仁木宏典^{1,3}

1) 遺伝研 系統生物、 2) 京都大 放生研、 3) 総研大 遺伝学専攻

2P-56 (3O4-05)

実バイオマスからエタノール発酵するための酵母株の探索

○Prihardi Kahar、 李載ミン、 松本華、 大塚裕美、 荻野千秋、 近藤昭彦

神大院・工学

2P-57

MALDI-TOF/MS を用いた発現タンパク質プロファイル測定方法の開発

○原 清敬¹、望月正雄¹、蓮沼誠久¹、中津井雅彦¹、荒木通啓¹、近藤昭彦²

1) 神戸大・自然科学、 2) 神戸大院・工

2P-58 (2St-01)

寄生性原虫トリパノソーマの進化的起源

—多様な原核生物からの水平伝播遺伝子の探索—

○福澤玲奈 1,2、松井 求 3、富田 勝 1,2、板谷光泰 1,2

1) 慶大・先端生命研、 2) 慶大・政策・メディア・先端生命、 3) 東大・理学系研究科