

# ポスター(1P)

ポスター掲示期間

3月7日(金) 12:30~3月9日(日) 11:50

討論時間

奇数番号:3月7日(金) 18:15~19:00

偶数番号:3月8日(土) 11:10~11:55

## 《ゲノムの構造と進化》

### 1P-001(O1-01) 大規模比較ゲノム解析が明らかにするプロテオドロプシンを持つ海洋細菌のゲノム進化

○熊谷洋平<sup>1,2</sup>、吉澤晋<sup>1,2</sup>、木暮一啓<sup>1,2</sup>、岩崎渉<sup>2</sup>

<sup>1</sup>東京大学大気海洋研究所 海洋生態系動態部門 微生物分野、<sup>2</sup>東京大学大気海洋研究所 地球表層圏変動研究センター 生物遺伝子変動分野

### 1P-002(O1-02) オルガネラ様共生細菌カルソネラから宿主昆虫への機能遺伝子水平転移

○中鉢淳<sup>1</sup>、Daniel B. Sloan<sup>2</sup>、Stephen Richards<sup>3</sup>、Jiaxin Qu<sup>3</sup>、Shwetha Canchi Murali<sup>3</sup>、Richard A. Gibbs<sup>3</sup>、Nancy A. Moran<sup>4</sup>

<sup>1</sup>豊橋技科大、<sup>2</sup>コロラド州立大、<sup>3</sup>ベイラー医科大、<sup>4</sup>テキサス大

### 1P-003(O1-03) 異なる系統の抗菌薬に対する交差耐性および超感受性の進化

○鈴木真吾、堀之内貴明、古澤力

理研・生命システム研究センター(QBiC)

### 1P-004(O1-04) バクテリアにおける転写制御ネットワークの包括的進化解析

○松井求<sup>1,2</sup>、富田勝<sup>1,2</sup>、金井昭夫<sup>1,2</sup>

<sup>1</sup>慶大・院・政策・メディア、<sup>2</sup>慶大・先端生命研

### 1P-005(O1-05) *Bifidobacterium*における系統的遺伝子破壊株コレクションの構築

○鈴木徹<sup>1</sup>、榎谷尚慶<sup>2</sup>、滝口裕加<sup>2</sup>、和泉絢子<sup>2</sup>、坂口広大<sup>1</sup>

<sup>1</sup>岐阜大・連合農学、<sup>2</sup>岐阜大・応用生物

### 1P-006(O1-06) 戦前の泡盛黒麹菌株「瑞泉菌」の比較ゲノム解析

鼠尾まい子<sup>1</sup>、東春奈<sup>1</sup>、渡久地政汰<sup>1</sup>、池原呂桜良<sup>2</sup>、佐久本学<sup>2</sup>、渡邊泰祐<sup>3</sup>、外山博英<sup>3</sup>、

○塚原正俊<sup>1</sup>

<sup>1</sup>(株)バイオジェット、<sup>2</sup>瑞泉酒造(株)、<sup>3</sup>琉球大農

### 1P-007(O1-07) ファイロゲノミクスによる腸管出血性大腸菌の優勢系統群および志賀毒素高産生性系統群の同定

○小椋義俊<sup>1,2</sup>、桂啓介<sup>1</sup>、伊藤武彦<sup>3</sup>、Mainil Jacques<sup>4</sup>、吉野修司<sup>5</sup>、磯部順子<sup>6</sup>、勢戸和子<sup>7</sup>、江藤良樹<sup>8</sup>、富永潔<sup>9</sup>、緒方喜久代<sup>10</sup>、楠本正博<sup>11</sup>、黒木真理子<sup>5</sup>、木全恵子<sup>6</sup>、前田詠里子<sup>8</sup>、亀山光博<sup>9</sup>、成松浩志<sup>10</sup>、秋庭正人<sup>11</sup>、矢端順子<sup>9</sup>、後藤恭宏<sup>2</sup>、大岡唯祐<sup>2</sup>、林哲也<sup>1,2</sup>

<sup>1</sup>宮崎大・フロンティア、<sup>2</sup>宮崎大・医・微生物、<sup>3</sup>東工大院・生命理工、<sup>4</sup>リエージュ大・獣医・細菌、<sup>5</sup>宮崎県衛環研・微生物、<sup>6</sup>富山県衛研・細菌、<sup>7</sup>大阪府公衛研・感染、<sup>8</sup>福岡県保環研・保科、<sup>9</sup>山口県保環センター・保科、<sup>10</sup>大分県衛環研・微生物、<sup>11</sup>動衛研・細菌寄生虫

### 1P-008(O1-08) 北極・南極*Pseudomonas*属細菌のゲノムレベルでの低温環境適応

○馬場知哉<sup>1</sup>、阿部貴志<sup>2</sup>、豊田敦<sup>3</sup>、中井亮佑<sup>3</sup>、長沼毅<sup>4</sup>、藤山秋佐夫<sup>3,5</sup>、伊村智<sup>6</sup>、神田啓史<sup>6</sup>、本山秀明<sup>6</sup>、仁木宏典<sup>3</sup>

<sup>1</sup>新領域融合セ、<sup>2</sup>新潟大院、<sup>3</sup>遺伝研、<sup>4</sup>広島大院、<sup>5</sup>情報研、<sup>6</sup>極地研

- 1P-009 (St1-01) チャバネアオカメムシ共生細菌のフォスミドライブラリーを用いた生関連遺伝子の探索**  
 ○石井佳子<sup>1</sup>、細川貴弘<sup>2</sup>、木村信忠<sup>1</sup>、二河成男<sup>3</sup>、菊池義智<sup>1</sup>、深津武馬<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>産総研・生物プロセス、<sup>2</sup>琉球大・熱帯生物圏、<sup>3</sup>放送大・教養
- 1P-010 (St1-02) LysR型転写制御因子MexTはIncP-7群プラスミドpCAR1の負荷軽減に関与する**  
 ○久保彩<sup>1</sup>、能登優<sup>1</sup>、高瀬識之<sup>1</sup>、高橋裕里香<sup>1</sup>、松本貴嗣<sup>2</sup>、吉川博文<sup>2,3</sup>、藤田信之<sup>4</sup>、岡田憲典<sup>1</sup>、山根久和<sup>5</sup>、野尻秀昭<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>東大・生物工学セ、<sup>2</sup>東京農大・ゲノム解析セ、<sup>3</sup>東京農大・応生科・バイオ、<sup>4</sup>NITE、<sup>5</sup>帝京大・バイオ
- 1P-011 (St1-03) 非選択条件下で優占化するプラスミド保持株の解析**  
 ○杉山大介、高橋裕里香、岡田憲典、野尻秀昭  
 東大・生物工学セ
- 1P-012 (St1-04) A systematic functional analysis of unknown genes on the Stx2 phage of *E. coli* O157:H7**  
 ○Shakhinur Islam Mondal<sup>1</sup>、Yoshitoshi Ogura<sup>1,2</sup>、Tadasuke Ooka<sup>1</sup>、Tetsuya Hayashi<sup>1,2</sup>  
<sup>1</sup>Divi. Micro., Dept. Infec. Disease., Med., Univ. Miyazaki, <sup>2</sup>Div Micro. Genom., Fron. Sci. Res. Cen., Univ. Miyazaki
- 1P-013 (St1-05) Comparative genome analysis of Spotted fever group *Rickettsia* in Japan; *R. japonica* and *R. heilongjiangensis***  
 ○Arzuba Atker<sup>1</sup>、Tadasuke Ooka<sup>1</sup>、Seigo Yamamoto<sup>2</sup>、Keisuke Katsura<sup>3</sup>、Yoshitoshi Ogura<sup>1,3</sup>、Tetsuya Hayashi<sup>1,3</sup>  
<sup>1</sup>宮崎大・微生物、<sup>2</sup>都城食衛研、<sup>3</sup>宮崎大・フロンティア
- 1P-014 (St1-06) 共生アイランド獲得は根粒菌ゲノムの品質低下の危険を招く**  
 ○飯田隆之、板倉学、伊沢剛、鮫島玲子、大久保卓、三井久幸、柿崎芳里、南澤究  
 東北大院生命科学
- 1P-015 (St1-07) ナフトレン分解プラスミドNAH7のoriTの同定と宿主域の解析**  
 ○岸田康平、井上慧、宮崎亮、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝  
 東北大・院生命
- 1P-016 リグニン代謝能を有すNovosphingobium属細菌のゲノム解析**  
 ○西真郎、大田ゆかり、飯田加賀美、小林樹和、長谷川良一、黒澤佳奈子、谷崎明子、足立明子、佐藤玲央奈、芳賀拓真、坪内泰志、丸山正、秦田勇二  
 海洋研究開発機構
- 1P-017 歯周病原細菌におけるCRISPRのゲノム進化制御**  
 ○渡辺孝康<sup>1</sup>、野澤孝志<sup>1</sup>、相川知宏<sup>1</sup>、丸山史人<sup>1,2</sup>、中川一路<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>医科歯科大・院医歯総合・細菌感染制御、<sup>2</sup>医科歯科大・院医歯総合・環境遺伝生態
- 1P-018 gamma-HCH分解能を有するsphingomonad細菌株における可動性遺伝因子を介したゲノム動態の解析**  
 ○大畑智史、田端理朗、荷川取佑記、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝  
 東北大院・生命科学
- 1P-019 PacBio RSを用いたピロリ菌メチロームの種内比較解析**  
 ○古田芳一<sup>1,2</sup>、南波宏枝<sup>1</sup>、柴田朋子<sup>3</sup>、西山智明<sup>4</sup>、重信秀治<sup>3,5</sup>、鈴木穰<sup>1</sup>、菅野純夫<sup>1</sup>、長谷部光泰<sup>3,5</sup>、小林一三<sup>1,2</sup>  
<sup>1</sup>東大・新領域・メディカルゲノム、<sup>2</sup>東大・医科研、<sup>3</sup>基生研、<sup>4</sup>金沢大学・学際科学実験センター、<sup>5</sup>総研大・生命科学

- 1P-020 ***In silico* genome subtractionによる難培養性微生物のコンプリートゲノム解析**  
○三浦隆匡<sup>1</sup>、細山哲<sup>1</sup>、内野佳仁<sup>1</sup>、山副敦司<sup>1</sup>、高畑陽<sup>2</sup>、伊藤雅子<sup>2</sup>、黄地祥子<sup>1</sup>、藤田信之<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>NITE-NBRC、<sup>2</sup>大成建設
- 1P-021 **非コードDNA領域による大腸菌pSC101の安定化に関する解析**  
○小島由夏<sup>1</sup>、林宏恵<sup>2</sup>、久留主泰朗<sup>1,2</sup>  
<sup>1</sup>茨城大院・農、<sup>2</sup>東京農工大学大学院連合農学研究科
- 1P-022 ***Tetragenococcus halophilus*の比較ゲノム解析**  
○西村郁子<sup>1</sup>、志波優<sup>2</sup>、市毛朝雄<sup>1</sup>、小熊哲哉<sup>1</sup>、小山泰二<sup>1</sup>、吉川博文<sup>2,3</sup>  
<sup>1</sup>野田産研、<sup>2</sup>東京農大・ゲノム解析セ、<sup>3</sup>東京農大・応生化・バイオ
- 1P-023 **NIESシアノバクテリアコレクションのゲノム解析**  
○志村遥平<sup>1</sup>、広瀬侑<sup>2</sup>、三澤直美<sup>2</sup>、河地正伸<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>国立環境研、<sup>2</sup>豊橋技科大
- 1P-024 **PCB分解菌*Comamonas testosteroni* TK102株のゲノム解析**  
○福田光平<sup>1</sup>、下平潤<sup>2</sup>、細山哲<sup>2</sup>、山副敦司<sup>2</sup>、藤田信之<sup>2</sup>、新谷政己<sup>1</sup>、金原和秀<sup>1</sup>  
1) 静大院・工、2) NITE
- 1P-025 **ミヤコグサ根粒菌の共通性と多様性に関する比較ゲノム解析**  
○眞板寛子<sup>1</sup>、平川英樹<sup>1,2</sup>、窪田和奈<sup>3</sup>、佐伯和彦<sup>3</sup>、佐藤修正<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>東北大学大学院・生命科学研究科、<sup>2</sup>かずさDNA研究所・植物ゲノム応用研究室、<sup>3</sup>奈良女子大学・理学部
- 1P-026 **O145, O121, O165 EHECのゲノム解析**  
○村瀬一典<sup>1</sup>、小椋義俊<sup>1,2</sup>、大岡唯祐<sup>2</sup>、桂啓介<sup>1</sup>、林哲也<sup>1,2</sup>  
<sup>1</sup>宮崎大・フロンティア、<sup>2</sup>宮崎大・医・微生物
- 1P-027 ***Synechococcus elongatus* PCC 7942 研究室株間のリシーケンス解析と表現型の差異に関わる原因遺伝子座の同定**  
○小澤啓悟<sup>1</sup>、兼崎友<sup>2</sup>、志波優<sup>2</sup>、渡辺智<sup>1</sup>、吉川博文<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>東京農大・応生科・バイオ、<sup>2</sup>東京農大・ゲノム解析セ
- 1P-028 **ウシとヒト由来*Treponema phagedenis*のゲノム比較**  
○後藤恭宏<sup>1</sup>、山崎和子<sup>2</sup>、小椋義俊<sup>1,2</sup>、大岡唯祐<sup>1</sup>、桂啓介<sup>2</sup>、矢野貴久<sup>3</sup>、大島健志朗<sup>4</sup>、服部正平<sup>4</sup>、三澤尚明<sup>3</sup>、林哲也<sup>1,2</sup>  
<sup>1</sup>宮崎大・医・微生物、<sup>2</sup>宮崎大・フロンティア、<sup>3</sup>宮崎大・農・獣医公衆衛生、<sup>4</sup>東京大・院・新領域
- 1P-029 **歯周病原菌*Prevotella intermedia*臨床分離株OMA14の全ゲノム配列決定**  
○内藤真理子<sup>1</sup>、小椋義俊<sup>2</sup>、林哲也<sup>2</sup>、中山浩次<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>長崎大・院・医歯薬・口腔病原微生物、<sup>2</sup>宮崎大・フロンティア
- 1P-030 **細胞内寄生を介したA群連鎖球菌の多様化・進化機構の解明**  
○山田俊介<sup>1</sup>、柴崎真樹<sup>2</sup>、渡辺孝康<sup>1</sup>、丸山史人<sup>1,3</sup>、中川一路<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>医科歯科大、院医歯総合、細菌感染制御、<sup>2</sup>医科歯科大、インプラント・口腔再生医学、<sup>3</sup>医科歯科大、環境遺伝生態

## 《真核微生物》

- 1P-096(O4-04) **菌類のヒストン修飾関連タンパク質の多様性に関する研究**  
○戸坂綾乃、磯貝泰弘、西田洋巳  
富山県立大学工学部・生物工学科・応用生物情報学講座

- 1P-097(O4-05) **大規模な比較ゲノムから見えるKinetoplastidとBacteria/Archaea間の水平伝播の考察**  
 ○福澤玲奈<sup>1,2</sup>、松井求<sup>1,2</sup>、富田勝<sup>1,2</sup>、板谷光泰<sup>1,2</sup>  
<sup>1</sup>慶大・先端生命研、<sup>2</sup>慶大・政策・メディア・先端生命
- 1P-098(O4-07) **ソリトン波様細胞集団運動における接着分子の役割**  
 ○桑山秀一  
 筑波大学生命環境系
- 1P-099(O4-08) **細胞性粘菌近縁種における相同遺伝子機能の非保存性**  
 毛利蔵人<sup>1</sup>、畑敬士<sup>1</sup>、菊地晴久<sup>2</sup>、○漆原秀子<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>筑波大・生命環境、<sup>2</sup>東北大・薬学
- 1P-100(O4-06) **高油脂生産緑藻変異株における原因因子の探索**  
 ○早川准平、井出曜子、佐藤絵衣子、原山重明  
 中央大・理工・生命
- 1P-101(St1-08) **単細胞紅藻シゾンにおけるDNA複製評価系の新規構築**  
 ○大庭優作、山口智也、佐藤淳、渡辺智、千葉櫻拓、吉川博文  
 東京農大・応生科・バイオ
- 1P-102 **ジャポニカス分裂酵母ゲノムより得られた菌糸形成に関与する遺伝子群**  
 ○野崎晋五<sup>1</sup>、古谷寛治<sup>2</sup>、吉川博文<sup>3</sup>、仁木宏典<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>遺伝研・系統生物研究センター、<sup>2</sup>京大・放射線生物研究センター、<sup>3</sup>東京農大
- 1P-103 **遺伝学のためのゲノムリシーケンシング遺伝子変異同定ツール**  
 ○飯田直子<sup>1</sup>、飯田哲史<sup>2</sup>、中村保一<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>国立遺伝学研究所・大量遺伝情報、<sup>2</sup>国立遺伝学研究所・細胞遺伝
- 1P-104 ***n*-アルカン資化性酵母 *Yarrowia lipolytica* における網羅的転写解析による長鎖アルデヒドデヒドロゲナーゼの同定とその解析**  
 ○岩間亮<sup>1</sup>、小林哲<sup>1</sup>、志波優<sup>2</sup>、吉川博文<sup>3</sup>、堀内裕之<sup>1</sup>、太田明徳<sup>4</sup>、福田良一<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>東大院・農生科・応生工、<sup>2</sup>岩手医大・いわて東北メディカル・メガバンク機構、<sup>3</sup>東農大・応生化・バイオ、<sup>4</sup>中部大・応用生物・応生化
- 1P-105 **極限環境紅藻の新規単離と重金属イオン耐性に関わる遺伝子の探索**  
 ○小田しおり<sup>1</sup>、重信直人<sup>1</sup>、兼崎友<sup>2</sup>、渡辺智<sup>1</sup>、千葉櫻拓<sup>1</sup>、三角修己<sup>3</sup>、黒岩常祥<sup>4</sup>、吉川博文<sup>1,2</sup>  
<sup>1</sup>東京農大・応生科・バイオ、<sup>2</sup>東京農大・ゲノムセンター、<sup>3</sup>立教大・理、<sup>4</sup>山口大・理
- 1P-106 **植物におけるTOR(target of rapamycin)の機能解明に向けて:ラパマイシンに感受性を示すシゾン株の構築**  
 ○今村壮輔<sup>1,2</sup>、石綿愛子<sup>1</sup>、渡辺智<sup>3</sup>、吉川博文<sup>2,3</sup>、田中寛<sup>1,2</sup>  
<sup>1</sup>東工大・資源研、<sup>2</sup>JST・CREST、<sup>3</sup>東農大・バイオ
- 1P-107 **糸状菌 *Aspergillus nidulans* におけるプロテインキナーゼC失活条件における網羅的転写解析**  
 ○片山琢也<sup>1</sup>、志波優<sup>2</sup>、吉川博文<sup>3</sup>、堀内裕之<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>東大院・農生科・応生工、<sup>2</sup>岩手医大・いわて東北メディカル・メガバンク機構、<sup>3</sup>東農大・応生科・バイオ
- 1P-108 ***Pseudococcomyxa ellipsoidea* におけるデンブン合成に関わる遺伝子のノックアウト**  
 ○高橋啓太<sup>1</sup>、吉満勇也<sup>1,2</sup>、福原いずみ<sup>1</sup>、原山重明<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>中央大・理工生命、<sup>2</sup>(株)デンソー基礎研 中央大学理工学部生命科学科

## 《細胞動態、病原性》

## 1P-109(O4-09) ジェノミクスを補うフェノミクスの利用で病原性研究を促進する

○Turner Peter<sup>1</sup>, Bochner Barry<sup>2</sup><sup>1</sup>株式会社セントラル科学貿易, 東京, <sup>2</sup>Biolog Inc, USA

## 1P-110(O4-10) 全ゲノムシーケンシングによるクラリスロマイシン耐性ヘリコバクターピロリ菌の潜在的なゲノム変化

○岩本彰<sup>1</sup>、棚橋俊仁<sup>1,2</sup>、岡田理菜<sup>1</sup>、吉田幸生<sup>3</sup>、菊地馨<sup>3</sup>、慶田喜秀<sup>3</sup>、吉田優<sup>1</sup>、東健<sup>1</sup><sup>1</sup>神戸大学医学部内科学講座消化器内科学分野、<sup>2</sup>神戸薬科大学医療薬学研究室、<sup>3</sup>沖縄県立中部病院内科

## 1P-111 薬剤耐性マラリアのゲノム解析

○白川康一<sup>1</sup>、西淵光昭<sup>2</sup><sup>1</sup>京都大学大学院 医学研究科 病原細菌学、<sup>2</sup>京都大学東南アジア研究所

## 《メタゲノム、環境微生物》

1P-134(O5-01) 嫌気性水素酸化好熱細菌*Thermosulfidibacter*の可逆的TCA回路○布浦拓郎<sup>1</sup>、高木善弘<sup>1</sup>、力石嘉人<sup>1</sup>、森浩二<sup>2</sup>、佐藤喬章<sup>3</sup>、原田健史<sup>2</sup>、柳川勝紀<sup>1</sup>、首藤彩<sup>1</sup>、大河内直彦<sup>1</sup>、跡見晴幸<sup>3</sup>、藤田信之<sup>2</sup>、高井研<sup>1</sup><sup>1</sup>海洋研究開発機構 海洋・極限環境生物圏領域、<sup>2</sup>製品評価技術基盤機構、<sup>3</sup>京都大学 工学部

## 1P-135(O5-02) 微生物の津波土壌への適応および進化

○平岡聡史<sup>1,2</sup>、町山麻子<sup>2</sup>、岩崎渉<sup>1,2</sup><sup>1</sup>東京大学大学院新領域創成科学研究科情報生命科学専攻、<sup>2</sup>東京大学大気海洋研究所地球表層圏変動研究センター1P-136(O5-03) 海底下堆積層でのコリノイド依存型脱メチル化遺伝子群*odm*の頻度と多様性の解明とエネルギー獲得系との関係についての考察○河合幹彦<sup>1,2</sup>、高見英人<sup>2</sup>、稲垣史生<sup>1</sup><sup>1</sup>海洋機構・高知コア研究所、<sup>2</sup>海洋機構・極限環境生物

## 1P-137(O5-04) 高脂肪食が腸内細菌叢及び腸内代謝物質に与える影響の評価

○石井千晴<sup>1,2</sup>、中西裕美子<sup>1,2</sup>、村上慎之介<sup>1,2</sup>、野津量子<sup>4</sup>、植野昌未<sup>4</sup>、日置恭司<sup>4</sup>、高倉彰<sup>4</sup>、平山明由<sup>1,2</sup>、曾我朋義<sup>1,2,3</sup>、伊藤守<sup>4</sup>、福田真嗣<sup>1,2</sup>、富田勝<sup>1,2,3</sup><sup>1</sup>慶大・先端生命研、<sup>2</sup>慶大・政策・メディア、<sup>3</sup>慶大・環境情報、<sup>4</sup>実中研

## 1P-138(O5-05) 関東平野における地下圏の細菌群集構造解析

○大久保智司<sup>1,7</sup>、大西純一<sup>1,2,7</sup>、Muhammad Azad<sup>1,7</sup>、須田互<sup>3</sup>、斎藤健志<sup>1,7</sup>、斎藤広隆<sup>4,7</sup>、竹村貴人<sup>5,7</sup>、濱本昌一郎<sup>6,7</sup>、小松登志子<sup>1,2,7</sup><sup>1</sup>埼玉大院・理工、<sup>2</sup>埼玉大・環境科学研究セ、<sup>3</sup>東大院・新領域、<sup>4</sup>東京農工大院・農、<sup>5</sup>日本大・文理、<sup>6</sup>東大院・農、<sup>7</sup>JST・CREST1P-139(O5-06) シロアリ腸内原生生物に細胞内共生する*Desulfovibrio*属細菌のゲノム解析○桑原宏和<sup>1</sup>、雪真弘<sup>2</sup>、伊藤武彦<sup>1</sup>、大熊盛也<sup>2,3</sup>、本郷裕一<sup>1,3</sup><sup>1</sup>東工大・生命理工、<sup>2</sup>理研・BMEP、<sup>3</sup>理研・JCM1P-140(O5-07) *Mycobacterium*属細菌のフェナントレン分解能に対する非分解菌の効果

○小川なつみ、加藤広海、遠藤諒、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝

東北大学生命科学研究科

## 1P-141(O5-08) 歯垢検体の保存温度および保存期間による細菌叢への影響

○篠崎夏子<sup>1,2</sup>、山岸潤也<sup>2</sup>、佐藤行人<sup>2</sup>、山下理宇<sup>2</sup>、山田拓司<sup>3</sup>、長崎正朗<sup>2</sup>、坪井明人<sup>4</sup><sup>1</sup>東北大・医学系・バイオメディカル、<sup>2</sup>東北大・ToMMo・ゲノム解析、<sup>3</sup>東工大・生命理工、<sup>4</sup>東北大・ToMMo・地域医療

- 1P-142(O5-09) 唾液細菌は腸内に定着し腸管免疫に影響を与える**  
 ○木口悠也<sup>1</sup>、須田互<sup>1</sup>、新幸二<sup>2</sup>、高畑宗明<sup>3</sup>、竹尾淳<sup>3</sup>、本田賢也<sup>2</sup>、森田英利<sup>3</sup>、服部正平<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>東大院・新領域、<sup>2</sup>理研・IMS-RCAI、<sup>3</sup>麻布大・獣医
- 1P-143(St1-09) MAPLEシステムを用いた新規アーキアの代謝機能解析**  
 ○荒井渉<sup>1</sup>、谷口丈晃<sup>2</sup>、守屋勇樹<sup>3</sup>、五斗進<sup>3</sup>、高見英人<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>海洋機構・生物圏、<sup>2</sup>三菱総研、<sup>3</sup>京大・化研
- 1P-144(St1-10) メタゲノム解析により推察される大西洋海嶺熱水噴出域に棲息する微生物群の環境適応戦略**  
 ○末永光<sup>1</sup>、Sixing Huang<sup>2</sup>、Regina Schauer<sup>3</sup>、Hanno Teeling<sup>2</sup>、Anke Meyerdierks<sup>2</sup>、Rudolf Amann<sup>2</sup>  
<sup>1</sup>産総研・生物プロセス、<sup>2</sup>Max Planck Institute for Marine Microbiology、<sup>3</sup>Aarhus Univ., Center for Geomicrobiology.
- 1P-145(St1-11) Diverse broad-host-range plasmids from freshwater carry few accessory genes**  
 Celeste Brown<sup>1</sup>、Diya Sen<sup>1</sup>、○Hirokazu Yano<sup>1,2</sup>、Matthew Bauer<sup>1</sup>、Linda Rogers<sup>1</sup>、Geraldine Van der Auwera<sup>3</sup>、Eva Top<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>University of Idaho、<sup>2</sup>University of Tokyo、<sup>3</sup>Broad Institute
- 1P-146(St1-12) ゲノミクス、プロテオミクス解析から読み解くアンモニア酸化(anammox)細菌“Ca. Scalindua japonica”の生活環**  
 ○押木守<sup>1</sup>、水戸佳祐<sup>1</sup>、木村善一郎<sup>2</sup>、金田一智規<sup>3</sup>、佐藤久<sup>1</sup>、岡部聡<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>北大院・工・環境創成、<sup>2</sup>産総研・バイオマス・微生物、<sup>3</sup>広大院・工・社会基盤
- 1P-147(St1-13) 日本人と外国人間における腸内マイクロバイオームの大規模比較解析**  
 ○西嶋傑<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>1</sup>、金錫元<sup>1</sup>、飯岡恵里香<sup>1</sup>、大森恵美<sup>1</sup>、木内美沙<sup>1</sup>、黒柳寛実<sup>1</sup>、小宮恵子<sup>1</sup>、須田互<sup>1</sup>、梅崎昌裕<sup>2</sup>、森田英利<sup>3</sup>、服部正平<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>東大院・新領域、<sup>2</sup>東大院・医、<sup>3</sup>麻布大・獣医
- 1P-148(St2-28) 抗菌薬飲用マウスのマイクロバイオーム解析による炎症関連細菌の推定**  
 ○飯田宗穂<sup>1,2</sup>、Giorgio Trinchieri<sup>2</sup>、金子周一<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>金沢大・恒常性制御学、<sup>2</sup>NCI, NIH, USA
- 1P-149(St1-14) 未培養好熱性アーキアCaldiarchoaeum群集におけるゲノム多様性**  
 ○首藤彩、高木善弘、高見英人、布浦拓郎、高井研  
 海洋研究開発機構・深海地殻内
- 1P-150(St1-16) 腸内細菌叢で”下克上”は起こるか**  
 ○高安伶奈<sup>1</sup>、大野博司<sup>2</sup>、福田真嗣<sup>2</sup>、高安美佐子<sup>3</sup>、高安秀樹<sup>4</sup>、服部正平<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>東大院・新領域、<sup>2</sup>理研・IMS-RCAI、<sup>3</sup>東工大・総理工 <sup>4</sup>SONY CSL
- 1P-151(St1-17) 1,2-ジクロロエタン脱ハロゲン化細菌Geobacter sp. AY株の遺伝的特性評価**  
 ○吉田奈央子<sup>1,2,3</sup>、朝日教智<sup>4</sup>、広瀬侑<sup>2</sup>、片山新太<sup>3</sup>  
<sup>1</sup>名古屋工業大学・若手イノベ、<sup>2</sup>豊橋技科大・EIIIRIS、<sup>3</sup>名大・エコトピア、<sup>4</sup>名古屋環研
- 1P-152(St1-18) メタゲノミック診断用データベース(iMetDB)の構築**  
 ○元岡大祐、後藤和義、後藤直久、中村昇太、飯田哲也、安永照雄、堀井俊宏  
 阪大・微研
- 1P-153(St1-19) 根粒超着生ダイズから分離されたMethylobacterium sp. AMS5のゲノム解析**  
 ○南智之、按田瑞恵、大久保卓、三井久幸、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝、南澤究  
 東北大学大学院生命科学研究科

- 1P-154 (St1-20) **低窒素環境のイネ根で優占する細菌のメタゲノム解析に基づいた分離:  
*Bradyrhizobium*属と*Burkholderia*属分離株の機能解析**  
○篠田亮、大久保卓、按田瑞恵、鶴丸博人、南澤究  
東北大院生命科学
- 1P-155 **種間の競争・協力がもたらす複合感染症成立機構**  
○丸山史人、遠藤亜希子、和泉雄一、中川一路  
東京医科歯科大学 大学院医師学総合研究科
- 1P-156 **次世代シーケンサーを活用した土壌診断システムの構築**  
○江上香理、佐藤幸、山田浩一郎、井口富久美、菊池泰司、山田智之  
Genomedia株式会社
- 1P-157 **アオコ発生時期の八郎潟における微生物群集構造の解析**  
○浅野亮樹、岡野邦宏、早川敦、志村洋一郎、稲元民夫、福島淳  
秋田県大・生資
- 1P-158 **淡水湖の嫌気水塊で優占する硫黄酸化細菌の比較ゲノム解析**  
○渡邊友浩、小島久弥、福井学  
北大・低温研
- 1P-159 **赤潮予測技術開発を目指した漁場環境メタゲノム解析**  
○森一樹<sup>1</sup>、日高朋子<sup>1</sup>、田代康介<sup>1</sup>、久原哲<sup>1</sup>、南雲古代<sup>1</sup>、石野園子<sup>1</sup>、石野良純<sup>1</sup>、吉村直晃<sup>2</sup>、多治見誠亮<sup>2</sup>、西広海<sup>3</sup>、田原義雄<sup>3</sup>、藤原篤志<sup>4</sup>、長井敏<sup>4</sup>  
<sup>1</sup>九大院・農、<sup>2</sup>熊本水研、<sup>3</sup>鹿水技セ、<sup>4</sup>中央水研
- 1P-160 **メタゲノム解析による活性汚泥中に生息する有用な微生物の探索**  
○熊谷鷹佑<sup>1</sup>、阿部貴志<sup>1</sup>、中田俊芳<sup>2</sup>、佐藤修正<sup>3</sup>、平川英樹<sup>3</sup>、近藤昭宏<sup>2</sup>、池村淑道<sup>4</sup>、松井和彦<sup>2</sup>  
<sup>1</sup>新潟大、<sup>2</sup>(株)日吉、<sup>3</sup>かずさDNA研究所、<sup>4</sup>長浜バイオ大学
- 1P-161 **環境微生物群集の地球レベルでの俯瞰的把握に向けた海洋メタゲノム配列を対象にした比較解析**  
○市川圭介<sup>1</sup>、池村淑道<sup>2</sup>、阿部貴志<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>新潟大・工、<sup>2</sup>長浜バイオ大学
- 1P-162 **有機塩素系農薬pentachlorophenol分解菌群のメタゲノム解析**  
○Yee Lii Mien<sup>1</sup>、沼田充<sup>2</sup>、堀寄允文<sup>1</sup>、細山哲<sup>2</sup>、山副敦司<sup>2</sup>、下村有美<sup>3</sup>、早津雅仁<sup>3</sup>、八田貴<sup>4</sup>、岡田憲典<sup>1</sup>、山根久和<sup>5</sup>、野尻秀昭<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>東大・生物工学セ、<sup>2</sup>NITE、<sup>3</sup>農環研、<sup>4</sup>岡山理大・工、<sup>5</sup>帝京大・バイオ
- 1P-163 **土壌微生物の移植メタゲノム**  
○加藤広海<sup>1</sup>、森田史<sup>2</sup>、丸山史人<sup>3</sup>、豊田敦<sup>4</sup>、永山浩史<sup>1</sup>、大坪嘉行<sup>1</sup>、永田裕二<sup>1</sup>、藤山秋佐夫<sup>5</sup>、黒川頭<sup>2</sup>、津田雅孝<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>東北大院生命、<sup>2</sup>東工大院生命理工、<sup>3</sup>東京医科歯科大、<sup>4</sup>国立遺伝研、<sup>5</sup>国立情報研
- 1P-164 **低タンパク質飼料マウスの腸内細菌叢解析**  
○清水翔<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>1</sup>、高畑正樹<sup>2</sup>、加藤完<sup>2</sup>、大野博司<sup>2</sup>、服部正平<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>東大院新領域、<sup>2</sup>理研IMS