

ポスター 2P

ポスター掲示期間

3月9日(土) 12:30 ~ 3月10日(日) 13:40

討論時間

奇数番号: 3月9日(土) 18:05 ~ 18:50

偶数番号: 3月10日(日) 12:55 ~ 13:40

《ゲノムの構造と進化》

2P-01 (O3-01) 分裂酵母を用いた生殖隔離メカニズム解明への挑戦とその課題

○清家泰介¹、中村太郎¹、下田親¹

1) 大阪市大院・理・生物地球

2P-02 (O1-07) 宿主適応に関連したインフルエンザウイルスのgenome signature

○岩崎裕貴^{1,2}、阿部貴志³、和田健之介¹、和田佳子^{1,4}、池村淑道¹

1) 長浜バイオ大、2) 日本学術振興会特別研究員DC、3) 新潟大、4) 滋賀医大

2P-03 *Escherichia* 属の新菌種 *E. albertii* のゲノム解析

○大岡唯祐¹、桂啓介¹、後藤恭宏²、小椋義俊^{1,2}、林哲也^{1,2}

1) 宮崎大・医・微生物、2) 宮崎大・フロンティア

2P-04 gamma-HCH 分解能を示す *Sphingobium* 属細菌 TKS 株と MI1205 株の全ゲノム配列決定と gamma-HCH 分解関与遺伝子群周辺領域の解析

○大畑智史¹、田端理朗¹、大坪嘉行¹、永田裕二¹、津田雅孝¹

1) 東北大・院生命科学

2P-05 (O4-03) 人為起源物質分解能を有する sphingomonad 細菌群のゲノムと可動性遺伝因子

○永田裕二¹、大畑智史¹、田端理朗¹、大坪嘉行¹、津田雅孝¹

1) 東北大院・生命科学

2P-06 薬剤耐性プラスミドの宿主域実験進化

(海外若手講演4) ○矢野大和^{1,2}、Julie Hughes¹、Gail Deckert¹、Masahiro Sota¹、Zaid Abdo¹、Igor Konieczny³、Eva Top¹

1) University of Idaho、2) 東大院・新領域、3) University of Gdansk

2P-07 (S2-19) PCB 分解菌 *Comamonas testosteroni* TK102 株のゲノム解析

○福田洸平¹、細山哲²、勝又啓史²、山副敦司²、藤田信之²、新谷政己¹、金原和秀¹

1) 静大・工、2) NITE

2P-08 酢酸菌 *Acetobacter pasteurianus* 12 株におけるゲノム情報と耐熱性との比較解析

○松谷峰之介¹、貝沼(岡本)章子²、山下隆司¹、志波優³、鈴木治夫⁴、平川英樹⁵、石川森夫²、小泉幸道²、吉川博文^{2,3}、薬師寿治¹、松下一信¹

1) 山口大・農、2) 東農大・応用生科、3) 東農大・ゲノムセンター、4) 山口大・院理工、5) かずさDNA研・植物ゲノム研究部

2P-09 (O5-02) 二重相同組換え法を用いた *Bifidobacterium longum* の染色体上遺伝子への欠失変異導入技術の開発

○吹谷 智¹、平山洋佑¹、阪中幹祥¹、福岡英訓²、村山寛樹²、加納康正²、横田 篤¹

1) 北大院農・応生科、2) 京都薬大・遺伝子工

- 2P-10 (S2-03) なぜシロアリ腸内共生原生生物のゲノムは巨大なのか？**
 ○桑原宏和¹、中西俊平¹、中鉢淳^{1,2}、本郷裕一¹
 1) 東工大・生命理工、2) 豊橋技科大
- 2P-11 (O5-04) 超好熱性アーキア *Thermococcus kodakarensis* のヒストンによる新たなクロマチン構造**
 ○円山由郷¹、福島久典¹、跡見晴幸²、竹安邦夫³、Nicholas A Kent⁴
 1) 大阪歯科大学・細菌学講座、2) 京都大学・工学研究科、3) 京都大学・生命科学研究科、4) Cardiff University, School of Bioscience, UK
- 2P-12 (O3-02) 始原紅藻 *C. merolae* の逆転または高度分断化 tRNA 遺伝子の解析**
 ○相馬亜希子^{1,3}、菅原潤一²、小野寺瑛宣³、谷内江望^{2,4}、金井昭夫²、大沼みお³、黒岩晴子³、黒岩常祥³、関根靖彦³
 1) 千葉大・園芸、2) 慶応大・先端生命、3) 立教大・理、4) トロント大
- 2P-13 枯草菌における分子シャペロン GroESL による突然変異緩衝作用の解析**
 ○法花津匠¹、大塚まみ¹、武井若紗¹、小菅是子¹、小林郷菜¹、吉川博文¹
 1) 東京農大・応生化・バイオ
- 2P-14 *Fusarium proliferatum* ゲノム中の転移因子探索のためのドラフトゲノム解析**
 ○渡辺麻衣子¹、大波純一²、足立淳³、小西良子¹、鎌田洋一¹
 1) 国立衛研・衛微、2) JST・NBDC、3) 統数研
- 2P-15 鯨骨生物群集における共生へのゲノミックス的アプローチ**
 ○高木善弘¹、宮崎征行¹、吉田尊雄¹、島村繁¹、河戸勝¹、藤原義弘¹、丸山正¹
 1) 海洋研究開発機構・海洋生物多様性研究プログラム
- 2P-16 微細藻類 *Parachlorella kessleri* と *Haematococcus pluvialis* のゲノムシーケンス**
 ○大島健志朗¹、金相完¹、大田修平²、山崎誠和²、渡邊光一²、河野重行²、服部正平¹
 1) 東大院・新領域・オーミクス、2) 東大院・新領域・先端生命
- 2P-17 (O4-08) 南極の好冷性 *Rhizobium* 属細菌のゲノム解析**
 ○馬場知哉¹、阿部貴志²、豊田敦³、藤山秋佐夫^{3,4}、伊村智⁵、神田啓史⁵、本山秀明⁵、仁木宏典³
 1) 新領域融合セ、2) 新潟大院、3) 遺伝研、4) 情報研、5) 極地研
- 2P-18 (S2-13) 南極湖底に広がる「コケ坊主」の共生生物相の網羅的解析**
 ○中井亮佑^{1,2}、阿部貴志³、馬場知哉⁴、柳原克彦⁴、伊村智⁵、鹿児島浩⁴、神田啓史⁵、小原雄治¹、仁木宏典^{1,4}、長沼毅⁶
 1) 遺伝研・系統生物セ、2) 学振・特別研究員PD、3) 新潟大学・院自然、4) 新領域融合セ・地球生命、5) 極地研・生物圏、6) 広島大学・院生物圏
- 2P-19 深海熱水活動域に生息するイプシロンプロテオバクテリアの溶原性ファージのゲノム解析**
 ○吉田(高島)ゆかり¹、高木善弘¹、島村繁¹、布浦拓郎¹、高井研¹
 1) 海洋機構
- 2P-20 (O3-08) *Paraliobacillus ryukyuensis* の耐塩性関連遺伝子解析**
 鼠尾まい子¹、東春奈¹、渡久地政汰¹、○塚原正俊¹
 1) バイオジェット・先端研究

- 2P-21 ウシ趾乳頭腫症病変部から分離された *Treponema phagedenis* のゲノム解析**
 ○後藤恭宏¹、山崎和子¹、小椋義俊^{1,2}、大岡唯祐²、矢野貴久³、大島健志朗⁴、服部正平⁴、三澤尚明³、林哲也^{1,2}
 1) 宮崎大・フロンティア、2) 宮崎大・医・微生物、3) 宮崎大・農・獣医公衆衛生、4) 東京大・院・新領域
- 2P-22 乳酸球菌 *Enterococcus mundtii* QU25 株のゲノム情報解析**
 ○築瀬弘明¹、志波優²、善藤威史³、広瀬侑⁵、千葉櫻拓¹、渡辺智¹、門多真理子^{3,1}、園元謙二³、吉川博文¹
 1) 東農大・バイオ、2) 東農大・ゲノムセンター、3) 九大院・農、4) 武蔵野大・環境、5) 豊橋技科大・EIRIS

《バイオインフォマティクス》

- 2P-23 Illumina シークエンサを用いたラガービール酵母 *Weihenstephan 34/70* ゲノムの決定**
 ○奥野未来¹、児玉由紀子²、伊藤武彦¹
 1) 東工大院・生命理工、2) サントリービジネスエキスパート(株)・微生物科学研究所
- 2P-24 比較ゲノム解析を用いた二次代謝系遺伝子クラスター予測**
 ○竹田至¹、梅村舞子²、小池英明²、町田雅之^{1,2}
 1) 東京農工大・工・生命工、2) 産総研・生物プロセス
- 2P-25 イソアロキサジン環を結合するタンパク質の局所構造分類**
 ○鈴木布美子¹、Gopi Kuppuraj²、由良敬²、池内昌彦¹
 1) 東大院・総合文化、2) お茶大院・人間文化創成科学
- 2P-26 (S2-14) イルミナシーケンサーの特性を考慮した変異コール**
 中村 建介¹
 1) 前橋工大・生命情報
- 2P-27 (S2-12) マルチプルアラインメントを用いたドメイン単位のオーソログ分類の改良**
 ○千葉啓和¹、内山郁夫¹
 1) 基礎生物学研究所
- 2P-28 (O5-05) 微生物統合データベース MicrobeDB.jp**
 ○森宙史¹、内山郁夫²、菅原秀明³、中村保一³、黒川顕¹、MicrobeDB.jp プロジェクトチーム^{1,2,3}
 1) 東京工業大学、2) 基礎生物学研究所、3) 国立遺伝学研究所
- 2P-29 Finishing 関連の 3 つのツール: GenoFinisher、AceFileViewer、ShortReadManager**
 ○大坪嘉行¹、永田裕二¹、津田雅孝¹
 1) 東北大学大学院生命科学研究科
- 2P-30 (S2-20) TogoAnnotation: 研究コミュニティ支援ゲノムアノテーションプラットフォームの整備とセマンティックウェブ技術利用の取り組み**
 ○藤澤貴智¹、神沼英里¹、岡本忍²、菅原秀明¹、内山郁夫³、黒川顕⁴、中村保一¹
 1) 遺伝研・生命情報研究センター、2) ライフサイエンス統合データベースセンター、3) 基生研・理論生物学領域、4) 東工大院・生命理工
- 2P-31 TogoGenome/TogoStanza: ゲノム情報統合と再利用のためのプラットフォーム**
 ○岡本忍¹、藤澤貴智²、川島秀一¹、片山俊明¹
 1) DBCLS、2) 遺伝研・生命情報研究センター

2P-32 セマンティックウェブ技術を応用した、微生物ゲノム情報とメタデータの統合

○川島秀一¹、岡本忍¹、片山俊明¹、森宙史²、竹原潤一²、山本希²、市原正巳³、
藤澤貴智⁴、中村保一⁴、菅原秀明⁴、黒川顕²

1)DBCLS、2)東工大・生命理工、3)NBRC、4)遺伝研

2P-33 環境メタITS解析を目指したバクテリアITSデータベースの構築

○三崎雅人¹、吉野弘二¹、森宙史¹、山田拓司¹、黒川顕¹

1)東工大院・生命理工

2P-34 (S2-11) アーキア脂質のデータベース

○有田正規^{1,2}、吉本美和¹、深澤桂子³、諏訪和大⁴、八杉悦子^{3,5}、和泉孝志³

1)東大院・理、2)理研植物セ、3)群馬大院・医、4)リオレクト(株)、5)東大院・医

2P-35 メタゲノムデータ用 *de novo* アセンブラーの開発

○梶谷嶺¹、伊藤武彦¹

1)東京工業大学大学院生命理工学研究科生命情報専攻

《メタゲノム研究》

2P-36 (S2-15) リダクターゼ機能相補による新規芳香族化合物分解酵素遺伝子の芳香族化合物複合汚染土壌メタゲノムからの探索

○永山浩史¹、菅原智詞¹、遠藤諒¹、加藤広海¹、大坪嘉行¹、永田裕二¹、津田雅孝¹

1)東北大院・生命

2P-37 (O4-01) BLSOM解析を活用したマダニ媒介性病原体の検索

○中尾亮¹、阿部貴志^{2,3}、山本正悟⁴、Nijhof Ard⁵、Jongejan Frans⁶、池村淑道²、
杉本千尋¹

1)北大・人獣セ、2)長浜バイオ大・バイオ、3)新潟大・工、4)宮崎衛研、5)独・フリー大、6)蘭・ユトレヒト大

2P-38 (O3-07) 腸内細菌の細菌叢分布と生態系の数理モデル

○高安伶奈¹、須田互¹、大野博司²、福田真嗣²、高安美佐子³、高安秀樹⁴、服部正平¹

1)東大院・新領域、2)理研・RCAL、3)東工大院・総理工、4)ソニー CSL

2P-39 (S2-21) 環境RNAからrRNAを除去するテーラーメイド型手法の開発

○増田曜子¹、伊藤英臣¹、白鳥豊²、海野佑介³、信濃卓郎³、下村有美⁴、早津雅仁⁴、
大島健志朗⁵、服部正平⁵、磯部一夫¹、大塚重人¹、妹尾啓史¹

1)東大院・農、2)新潟農総研、3)北農研、4)農環研、5)東大院・新領域

2P-40 (O3-05) Single cell genomicsのためのphi29 DNA polymeraseの調製

○高橋宏和¹、小堀俊郎¹、山崎裕之²、金原浩子¹、山本公子³、斉藤俊行⁴、千室智之²、
小林崇良²、杉山滋¹

1)農研機構・食総研・ナノバイオ工学、2)関東化学・伊勢原研究所、3)生資研・昆虫ゲノム、4)放医研

2P-41 (O3-06) 定量的メタゲノム解析が明らかにした海底下堆積環境を特徴づける還元的脱ハロゲン化遺伝子

○河合幹彦¹、豊田敦²、高木善弘¹、西真郎¹、荒井渉¹、内山郁夫³、伊藤武彦⁴、
坪内泰志¹、諸野祐樹¹、青池寛¹、高井研¹、藤山秋佐夫²、稲垣史生¹、高見英人¹

1)海洋研究開発機構、2)遺伝研、3)基生研、4)東工大

- 2P-42 (S2-17) メタゲノム解析による日本人腸内マイクロバイオームの特徴解明**
 ○西嶋傑¹、大島健志朗¹、飯岡恵里香¹、大森恵美¹、木内美沙¹、金錫元¹、須田互¹、森田英利²、服部正平¹
 1) 東大院・新領域、2) 麻布大・獣医
- 2P-43 赤潮予測に向けた漁場環境メタゲノム解析**
 ○森一樹¹、田代康介¹、久原哲¹、南雲吉代¹、石野園子¹、石野良純¹、安東秀徳²、西広海³、藤原篤志⁴、長井敏⁴、佐野元彦⁴
 1) 九大院・農、2) 熊本水研、3) 鹿児島水技セ、4) 中央水研
- 2P-44 16S アンプリコン解析によるヤマトマダニ保有細菌叢の菌種組成解析**
 ○邱 永晋¹、中尾 亮¹、大沼愛子¹、杉本千尋¹
 1) 北大人獣センター
- 2P-45 環境メタデータと系統組成の統合解析**
 ○吉野弘二¹、西山依里¹、須田好²、竹原潤一¹、山本希¹、森宙史¹、山田拓司¹、丸山史人³、上野雄一郎²、丸山茂徳²、黒川顕¹
 1) 東工大院・生命理工、2) 東工大院・地惑、3) 東京医科歯科大・医歯学総合研究科
- 《遺伝子の発現制御》
- 2P-46 (O5-01) 枯草菌の銅イオン取り込みに関与する *ycnKJI* オペロンを直接制御する YcnK 転写因子の構造と機能**
 ○広岡和丈¹、枝廣貴成¹、木村晃輔¹、藤田泰太郎¹
 1) 福山大生命工・生物工
- 2P-47 (O4-04) Ribosome profiling による翻訳開始部位の精密マッピング**
 ○中東憲治¹、中屋敷徹²、志波優³、吉川博文^{3,4}、森浩禎²、富田勝^{1,5}
 1) 慶應大・先端生命研、2) 奈良先端大・生物、3) 東京農大・ゲノムセンター、4) 東京農大・応用生物、5) 慶應大・環境情報
- 2P-48 (O5-07) *Bradyrhizobium japonicum* の PHB 蓄積に関わるパラログ遺伝子の機能解析**
 芦田義裕¹、田中耕生²、竹中慎治¹、○吉田健一¹
 1) 神戸大院・農、2) 神戸大院・自
- 2P-49 (S2-18) 非モデルシアノバクテリアにおける補色順化の観察**
 ○広瀬侑¹、片山光徳²、大島健志朗³、池内昌彦⁴、服部正平³
 1) 豊橋技科大・EIIIRIS、2) 日本大・生産工学、3) 東京大・院・新領域、4) 東京大・院・総合文化
- 2P-50 (S2-10) *Anabaena* sp. PCC 7120 のヘテロシスト分化における DNA メチル化の役割**
 ○田中裕二¹、得平茂樹^{2,3}、栗井光一郎^{3,4}
 1) 静大院・理、2) 中央大・理工、3) JST・さががけ、4) 静岡大・GRL
- 2P-51 (O5-06) 枯草菌ファージ防御遺伝子 *nonA* の転写制御とファージ特異性の解析**
 ○山本達也¹、Yee Lii Mien²、朝井計³、中村幸治¹
 1) 筑波大院生命環境、2) 東大生物工学セ、3) 埼玉大院理工・分子生物
- 2P-52 (S2-05) プラスミドと宿主染色体由来の H-NS 様因子による異なる転写制御機構の解析**
 ○鈴木千穂¹、尹忠鉄^{1,2}、堀田彰一郎³、寺田透²、田之倉優³、岡田憲典¹、山根久和⁴、野尻秀昭^{1,2}
 1) 東大・生物工学セ、2) 東大院農生科・アグリバイオ、3) 東大院農生科・応生化、4) 帝京大・バイオ

- 2P-53 (S2-22) 枯草菌において *rrn* オペロンのコピー数が *prophage2* に与える影響の解析**
 ○矢野 晃一¹、和田 哲也¹、増田 健太¹、安藤 星次郎¹、松本 貴嗣²、志波 優²、吉川 博文^{2,3}、河村 富士夫¹
 1)立教大・理、2)東京農大・ゲノム解析セ、3)東京農大・応生科・バイオ
- 2P-54 (S2-08) 枯草菌のダイマーリボソームにおける YvyD の活性部位解析**
 ○田上和美¹、小野寺弘希¹、花井亮¹、河村富士夫¹
 1)立教大・理
- 2P-55 (S2-09) 枯草菌の antiSD 配列改変型リボソームを用いた大腸菌 *lacZ* 遺伝子高発現系の開発**
 ○武田拓也¹、矢野晃一¹、鈴木祥太¹、難波恵理¹、河村富士夫¹
 1)立教大・理
- 2P-56 (S2-16) 枯草菌における異種微生物 16S rRNA 遺伝子導入株の作製と解析**
 ○難波恵理¹、鈴木祥太¹、矢野晃一¹、河村富士夫¹
 1)立教大・理・生命理
- 2P-57 (O5-08) 単細胞性緑藻 *Pseudococcomyxa ellipsoidea* の遺伝子ノックアウト技術開発**
 ○吉満 勇也^{1,2}、今村 壮輔³、福原 いずみ²、藏野 憲秀¹、福田 裕章¹、原山 重明²
 1)㈱デンソー基礎研、2)中大・理工、3)東工大・資源研
- 2P-58 (O4-07) 病原真菌 *Aspergillus fumigatus* の孢子におけるストレス耐性機構の解析**
 ○萩原大祐¹、五ノ井透¹、川本進¹
 1)千葉大・真菌センター
- 2P-59 (S2-04) 孢子形成部分欠損を示す枯草菌 S10 リボソームタンパク質遺伝子変異体およびそのサプレッサーの単離と解析**
 ○鈴木 祥太¹、青木 剣人¹、難波 恵理¹、関根 靖彦¹、河村 富士夫¹
 1)立教大・理
- 2P-60 (S2-02) 多細胞性シアノバクテリア *Anabaena* のヘテロシストにおける概日遺伝子発現制御**
 ○櫛岡博子¹、久下沼秀之¹、松岡正城¹、得平茂樹^{2,3}、大森正之²、岩崎秀雄¹
 1)早大、2)中大、3)JST さきがけ
- 2P-61 (S2-07) シアノバクテリアの暗期での大規模な転写抑制は光合成の停止によって引き起こされるのか**
 ○高野壮太郎¹、園池公毅²、岩崎秀雄¹
 1)早大院・先進・電生、2)早大・教育・総合科学学術院
- 2P-62 (O3-04) 放線菌ゲノムに特異的に分布する GPCR 様制御系 *conservon* の解析**
 ○高野英晃¹、渡辺隼人¹、橋本和紀¹、上田賢志¹
 1)日大・生資科・生命セ
- 2P-63 The comprehensive genomic analysis of *Leuconostoc mesenteroides* 8293**
 ○Onuma Chumsakul¹、Amarila Malik²、Tetsuya Kurata¹、Naotake Ogasawara¹、Taku Oshima¹、Shu Ishikawa¹
 1)奈良先端大・バイオ、2)インドネシア大学・薬学
- 2P-64 Amino acid acetylation by the *E. coli* orphan enzyme YhhY**
 ○Hitoshi Iuchi¹、Kian-Kai Cheng^{1,2}、Tomoyoshi Soga^{1,2}、Masaru Tomita^{1,2}、Martin Robert^{1,2}
 1)Sys. Biol. Prog., Grad. Sch. Media & Governance, Keio Univ.、2)Inst. Adv. Bio. Sci., Keio Univ.

2P-65 黄色ブドウ球菌における細胞多様性に関わる遺伝子の解析

○松田卓郎¹、森川一也¹
1) 筑波大・感染生物学(微生物)

2P-66 (O5-03) モデル生物 *Thermus thermophilus* HB8 の蛋白質の翻訳後修飾

増井良治^{1,2}、上利佳弘²、新海暁男²、飯尾洋太¹、岡西広樹¹、Kwang Kim¹、大山礼雅¹、
西田優也³、福井健二⁴、倉光成紀^{1,2,3}
1) 阪大・院理、2) 理化学研究所・SPRING-8 センター、3) 阪大・院生命機能、4) 阪大・院工

2P-67 NaCl刺激による *Pseudococcomyxa ellipsoidea* の油脂代謝経路変化

○長谷川流史¹、今村壮輔²、井出曜子¹、藏野憲秀³、原山重明¹
1) 中央大・理工、2) 東工大・資源化学、3) 株式会社デンソー 基礎研究所

《合成生物学》

2P-68 (O3-09) 液体ハンドリングのみによって行う微生物ゲノムの連続編集

○富永 将大¹、嶋村 陽¹、曾和 義幸^{2,3}、川岸 郁朗^{2,3}、斎藤 恭一¹、梅野 太輔¹
1) 千葉大院・工・共生応化、2) 法政大・生命科学、3) 法政大マイクロ・ナノテクノロジー研究センター

2P-69 (O4-05) 光スイッチ開発による光合成物質生産の効率化への試み

○成川礼^{1,2}、Ni Ni Win¹、池内昌彦¹
1) 東大・院・総合文化、2) JST・さががけ

《細胞増殖の分子機構》

2P-70 (S2-01) 細菌群集動態のモデリング

○伊藤貴広¹、堂園亜由美¹、西山依里¹、加藤広海²、大坪嘉行²、永田裕二²、津田雅孝²、
森由史¹、黒川顕¹
1) 東京工業大学大学院生命理工学研究科、2) 東北大学大学院生命科学研究所

2P-71 枯草菌における細胞壁テイコ酸飾メカニズムの解明

○蕨野裕哉¹、田中達仁¹、久米田慶裕¹、関口順一¹、山本博規¹
1) 信大院・応生

2P-72 大腸菌の生育に必須な機能未知遺伝子 *yqgF* の解析

中西忍¹、橋本昌征¹、古屋伸久¹、○加藤潤一¹
1) 首都大・理工・生命

2P-73 (O3-03) 大腸菌染色体大規模欠失株の解析とその利用

○高木光¹、久保田希¹、加藤潤一¹
1) 首都大・理工・生命

2P-74 陸棲シアノバクテリア *Nostoc commune* における UV-A/B 吸収物質の生産

○坂本 香織^{1,2}、茶畑 翔太¹、小川 浩之²、松井 慧³、坂本 敏夫³
1) 金沢工大・バイオ・化学・応用バイオ、2) 金沢工大・バイオ・化学、3) 金沢大院・自然・生物

《代謝工学》

2P-75 (O4-02) 糸状菌 *Chaetomium globosum* における天然物生合成の人為的変動

○中沢威人¹、五反田康孝¹、石内勘一郎¹、野口博司¹、渡辺賢二¹
1) 静岡県大院・薬

2P-76 (O4-06) 乳酸菌由来タンナーゼ遺伝子の探索と酵素活性に関する研究

○野本 竜平¹、上田 宗平²、吉田 健一²、大澤 朗²

1) 神戸大・自然科学系先端融合研究環、2) 神戸大院・農学研究科

2P-77 超好熱性アーキア由来 ribokinase family タンパク質の機能解析

○佐藤 喬章^{1,3}、藤橋 雅宏^{2,3}、宮本 幸花²、桑田 啓子¹、日下 絵里子¹、藤田 春雄¹、三木 邦夫^{2,3}、跡見 晴幸^{1,3}

1) 京大院工、2) 京大院理、3) JST CREST

2P-78 (S2-06) 枯草菌由来 ferredoxin-NADPH 酸化還元酵素の酸化還元能調節機構

○瀬尾 倅介¹、西村 恵里夏¹、内藤 洋¹、櫻井 武¹

1) 金沢大・理工・物質化学

2P-79 アーキアにおける補酵素 A の生合成とその制御

○跡見 晴幸¹、富田 宏矢¹、横大路 裕介¹、石橋 拓也¹、今中 忠行¹

1) 京大院・工、2) JST, CREST