

ポスター発表プログラム

ポスター掲示期間:

1P 3月10日(土)13:00~3月11日(日)12:00

2P 3月11日(日)12:15~3月12日(月)14:25

ポスター討論時間:

1P奇数番号 3月10日(土)18:15~19:00

1P偶数番号 3月11日(日)11:15~12:00

2P奇数番号 3月11日(日)18:15~19:00

2P偶数番号 3月12日(月)13:40~14:25

1P

《ゲノムの構造と進化》

- 1P-1** **新型マラリア*Plasmodium knowlesi* (二日熱マラリア)のゲノム解析**
○白川康一¹、西淵光昭²
1)京大院 医 病原細菌学、2)京大 東南アジア研究所
- 1P-2** **ファージとその防御機構に着目したA群レンサ球菌ゲノムの種内多様性解析**
○細見晋吾¹、相川知宏¹、丸山史人¹、中川一路¹
1)東京医科歯科大学 医歯学総合研究科 細菌感染制御学
- 1P-3(O-1)** **ピロリ菌*cagA* 癌遺伝子の組換えによる進化**
○古田芳一^{1,2}、矢原耕史³、畠山昌則⁴、小林一三^{1,2,5}
1)東大院 新領域、2)東大 医科研、3)久留米大院 医、4)東大院 医、5)東大院 理
- 1P-4(O-2)** **Conjugative transposon CTnPg1の類似CTn とaccessory geneの解析**
○内藤真理子¹、佐藤啓子¹、雪竹英治¹、庄子幹郎¹、中山浩次¹
1)長崎大院 医歯薬 口腔病原微生物学
- 1P-5** **犬膿皮症由来*Staphylococcus pseudintermedius* 表皮剥脱毒素ExpB産生株の全ゲノム配列解析**
○久恒順三^{1,2}、平川英樹³、伊從慶太⁴、西藤公司⁴、大島健志朗⁵、服部正平⁵、菅井基行^{1,2}
1)広島大院 感染症プロジェクト研究センター、2)医歯薬 細菌、3)かずさDNA研、4)東京農工大 農学、5)東大院 新領域
- 1P-6** **腸管侵入性大腸菌のゲノム解析**
○小椋義俊^{1,2}、大岡唯祐²、磯部順子³、河野喜美子⁴、松本昌門⁵、勢戸和子⁶、岩出義人⁷、緒方喜久代⁸、林哲也^{1,2}
1)宮崎大 フロンティア、2)宮崎大 医 微生物、3)富山衛研 細菌、4)宮崎衛環研 微生物、5)愛知衛研 細菌、6)大阪公衛研 感染症 細菌、7)三重保衛研 微生物、8)大分衛環研 微生物
- 1P-7(O-3)** **乳酸菌とビフィズス菌における線毛遺伝子群の解析**
○森田英利¹、Tulika Prakash²、大島健志朗³、藤英博⁴、Todd D. Taylor²、五十君静信⁵、服部正平³
1)麻布大 獣、2)理研 QBiC、3)東大院 新領域、4)九大 生体防御、5)国立医薬品食品研
- 1P-8(1SB-1)** **ランダム変異導入法への応用を目指したビフィズス菌由来挿入配列TLS143の機能解析**
○阪中幹祥¹、阿部光紗¹、平山洋佑¹、吹谷 智¹、加納康正²、横田 篤¹
1)北大院農 応生科、2)京都薬大 遺伝子工
- 1P-9(O-4)** **ヒト腸内から分離したイソフラボン代謝細菌のゲノム解析**
横山慎一郎¹、大島健志朗²、野村泉³、川田結花³、服部正平²、○鈴木徹³
1)岐阜県産業技術センター、2)東京大学新領域創成科学研究科、3)岐阜大学連合農学研究科

- 1P-10(O-5) Whole-genome resequencing of *Synechocystis* sp. PCC 6803 substrains by massively parallel sequencer**
○Yu Kanesaki¹, Yuh Shiwa¹, Naoyuki Tajima², Marie Suzuki³, Satoru Watanabe³, Naoki Sato², Masahiko Ikeuchi², and Hirofumi Yoshikawa^{1,3}
1)NGRC, Tokyo Univ. Agric., 2) Grad. Sch. of Arts and Sciences, The Univ. Tokyo, 3)Fac. Appl. Biosci., Tokyo Univ. Agric.
- 1P-11(O-6) 補色順化能を持つシアノバクテリアのゲノム解析**
○広瀬侑^{1,2}、飯岡恵里香²、大森恵美²、須田亙²、大島健志朗²、華岡光正³、片山光徳⁴、田中寛⁵、池内昌彦²、服部正平²
1)豊橋技術科学大学、2)東京大学、3)千葉大学、4)日本大学、5)東京工業大学
- 1P-12 共生窒素固定放線菌フランキアのゲノム構造の多様性**
○九町健一¹、笹川英夫²、山中高史³、阿部美紀子¹、内海俊樹¹
1)鹿児島大学、2)岡山大学、3)森林総合研究所
- 1P-13 ダイズ根粒菌 *Bradyrhizobium elkanii* のゲノム構造解析**
○金子貴一¹、宮澤幸樹¹、飛弾英伸¹、渡辺安希子²、平川英樹²、田畑哲之²、佐藤修正²
1)京都産業大 工、2)かずさDNA研
- 1P-14(1SB-2) ミヤコグサ根粒菌 (*Mesorhizobium loti*) 12株における遺伝子構造の比較解析**
○眞板寛子^{1,2}、平川英樹¹、佐伯和彦³、田畑哲之¹、佐藤修正^{1,2}
1)かずさDNA研 植物ゲノム、2)東北大院 生命科学、3)奈良女子大 理
- 1P-15(O-7) ミカンキジラミ共生細菌2種のゲノム構造と機能的役割**
○中鉢淳¹、大島健志朗²、上岡麗子³、Alfonso Mangoni⁴、Mihaela Gurgui³、Neil Oldham⁵、Gerhild van Echten-Deckert³、井上広光⁶、大熊盛也⁷、本郷裕一⁸、宮城島進也⁹、Jörn Piel³、服部正平²、深津武馬¹⁰
1)豊橋技科大、2)東大、3)ボン大、4)ナポリ大、5)ノッティンガム大、6)果樹研、7)理研、8)東工大、9)遺伝研、10)産総研
- 1P-16(O-8) 深海底熱水活動域に棲息する新奇硫黄酸化 *Gammaproteobacteria* のゲノム解析**
○布浦拓郎¹、風間宏美¹、角太淳吾¹、島村繁¹、高木善弘¹、高井研¹
1)海洋研究開発機構 深海 地殻内
- 1P-17 N₂O還元型脱窒細菌 *Azoarcus* 属KH32C株のゲノム解析**
○西澤智康¹、多胡香奈子^{1,2}、石井聡^{1,3}、藤井大地¹、大塚重人¹、大島健志朗⁴、服部正平⁴、妹尾啓史¹
1)東大院 農生命、2)現 農環研、3)現 北大 工、4)東大院 新領域
- 1P-18 土壌低栄養細菌 *Agromonas oligotrophica* S58^T のゲノム解析**
○大久保卓¹、大島健志朗²、三井久幸¹、服部勉³、服部正平⁴、南澤究¹
1)東北大院 生命、2)東大院 新領域、3)アチックラボ
- 1P-19(O-9) 全ゲノム解読から明らかになった好アルカリ性細菌 *Bacillus pseudofirmus* OF4株のアルカリ性環境適応機構**
B. Janto¹, A. Ahmed¹、○伊藤政博²、J. Liu³、D.Hicks³、S. Pagni³、O. Fackelmayer³、T. Smith³、J. Earl¹、L. Elbourne⁴、K. Hassan⁴、I. Paulsen⁴、A. Kolstø⁵、N. Tourasse⁶、G. Ehrlich¹、R. Boissy¹、D. Mack Ivey⁷、G. Li⁸、Y. Xue⁸、Y. Ma⁸、F. Hu¹、T. Krulwich³
1)Drexel University College of Medicine, USA、2) 東洋大学、3)Mt. Sinai School of Medicine, USA、4) Macquarie University, Australia、5)University of Oslo, Norway、6)Université Pierre et Marie Curie, France、7)University of Arkansas, USA、8)Chinese Academy of Sciences, China
- 1P-20 次世代シーケンサによる耐塩性微生物 *Paraliobacillus ryukyuensis* の網羅的遺伝子解析**
○塚原正俊¹、ファンテー タイ¹、東春奈¹、鼠尾まい子¹
1)(株)バイオジェット

- 1P-21(O-10) 南極大陸 *Pseudomonas* 属細菌のゲノム特性**
○馬場知哉¹、阿部貴志²、豊田敦³、藤山秋佐夫^{3,4}、伊村智⁵、神田啓史⁵、本山秀明⁵、仁木宏典³
1)新領域融合研究センター、2)新潟大学、3)国立遺伝学研究所、4)国立情報学研究所、5)国立極地研究所
- 1P-22 βアミノ酸系化合物を生産する *Streptomyces* spp. のドラフトゲノム解析**
○萩原央子¹、小山芳典¹、竹田至^{1,2}、寺井悟朗^{1,3}、新家一男¹、浅井潔¹、内藤信輔⁴、加藤雅士⁴、吉村巧⁵、町田雅之^{1,2}
1)産総研、2)東京農工大、3)インテック、4)名城大学、5)ケイアイ研
- 1P-23(1SA-1) 有機塩素系殺虫剤 gamma-hexachlorocyclohexane 分解能を有する *Sphingobium* sp. TKS株のゲノム解析**
○大畑智史¹、川角 徹¹、大坪嘉行¹、永田裕二¹、津田雅孝¹
1)東北大学大学院生命科学研究科
- 1P-24 GenoFinisherを用いた *Pseudomonas* sp. CF600ゲノムの完全配列決定**
○奥野周¹、大坪嘉行¹、永田裕二¹、津田雅孝¹
1)東北大学大学院生命科学研究科
- 1P-25 醤油麹菌 *Aspergillus sojae* のゲノム解析**
○佐藤敦史^{1,2}、大島健志朗³、野口英樹⁴、高橋理¹、小山泰二²、伊藤武彦⁴、服部正平³、半谷吉識¹
1)キッコーマン、2)野田産研、3)東大院新領域、4)東工大生命理工
- 1P-26 微細藻類 *Parachlorella kessleri* の全ゲノムシーケンス**
○大島健志朗¹、広瀬侑^{1,2}、大田修平³、渡邊光一³、河野重行³、服部正平¹
1)東大院 新領域 オーミクス、2)豊橋技科大 EIIRIS、3)東大院 新領域 先端生命
- 1P-27 シロウリガイ類共生細菌種間でのNER関連遺伝子の欠失過程と共生細菌ゲノム縮小進化**
○島村繁¹、金子隆司^{1,2}、丸山正¹、吉田尊雄¹
1)独立行政法人海洋研究開発機構、2)東京バイオテクノロジー専門学校
- 1P-28(1SB-3) 有毒ラン藻 *Microcystis aeruginosa* のCRISPR領域における外来DNA由来配列の多様性**
○久野草太郎¹、吉田天士¹、金子貴一²、左子芳彦¹
1)京都大学大学院農学研究科、2)京都産業大学総合生命科学部
- 1P-29(O-11) 納豆菌多数株のリシーケンシングとゲノム多型解析**
三宅正透¹、○八谷剛史¹、長谷純崇¹、志波優²、久保雄司³、吉川博文^{2,4}、木村啓太郎⁵、榊原康文¹
1)慶應大 理工、2)東京農大 ゲノムセンター、3)茨城県工業技術センター、4)東京農大 バイオ、5)農研機構 食総研
- 1P-30(1SB-4) 不均衡変異導入法におけるゲノムワイドな変異スペクトル解析**
○志波優¹、田中(福島)早苗²、笠原堅²、堀内貴之²、吉川博文^{1,3}
1)東農大 ゲノム解析セ、2)(株)ネオ モルガン研究所、3)東農大応生科 バイオ
- 1P-31 枯草菌における納豆菌挿入配列の転移制御機構に関する宿主因子の探索**
○明石基洋¹、茂木俊丞¹、大河内悠貴¹、高橋究¹、千葉櫻拓¹、加田茂樹²、山上圭吾²、関根靖彦³、吉川博文¹
1)東京農大 バイオ、2)ミツカン中研、3)立教大学 理
- 1P-32 オペロンの水平伝播による細菌ゲノムの多様性獲得**
○野口恵¹、森宙史¹、丸山史人²、黒川 顕¹
1)東京工業大学大学院生命理工学研究科、2)東京医科歯科大学大学院医歯学総合研究科

1P-33(1SA-3) arCOGsに基づくEuryarchaeotaの系統解析

○木幡賢人¹、有田正規¹

1)東大院 新領域

1P-34 ゲノム解析による導入遺伝子の挿入位置と末端周辺配列の同定の試み

○高木忍¹、宇田川裕晃¹、竹田 綾²

1)ノボザイムズ ジャパン(株)、2)(株)ジナリス

1P-35(O-21) 薬剤耐性大腸菌の実験進化的創出と耐性化機構の解析

○鈴木真吾¹、堀之内貴明¹、古澤力^{1,2}

1)理研 生命システム研究センター(QBiC)、2)阪大院 情報

1P-36 遺伝子水平伝播シミュレーションプログラム(HGT-Gen)の開発

○堀池徳祐¹、宮田大輔²、葉袋良一¹、館野義男³

1)静岡大学 若手グローバル研究リーダー育成拠点、2)千葉商科大学 商、3)浦項工科大学 生物工

1P-37(1SA-4) 新規情報学的戦略を用いた膨大な量のインフルエンザウイルスゲノムからの特徴抽出

○岩崎裕貴¹、阿部貴志^{1,2}、和田健之介¹、伊藤正恵¹、池村淑道¹

1)長浜バイオ大、2)新潟大

1P-38(O-12) tRNADB-CEで公開した全tRNA遺伝子を対象とした自己組織化マップ解析

岩崎裕貴¹、阿部貴志^{1,2}、小林佳史¹、三宅雄大¹、馮麗利¹、山田優子¹、武藤昱³、井口八郎¹、○池村淑道¹

1)長浜バイオ大、2)新潟大、3)弘前大

《バイオインフォマティクス》

1P-39 微生物ドラフトゲノムのフィニッシングツールGenoFinisher

○大坪嘉行¹、奥野周¹、永田裕二¹、津田雅孝¹

1)東北大学大学院生命科学研究科

1P-40 微生物の棲息環境データの記述、整理のためのオントロジー構築

○森宙史¹、岡本忍²、川島秀一³、竹原潤一¹、吉野弘二¹、MicrobeDB.jpプロジェクトチーム

1)東工大 生命理工、2)ライフサイエンス統合データベースセンター、3)東大 ヒトゲノム解析センター

1P-41 微生物統合データベース MicrobeDB.jp

○MicrobeDB.jpプロジェクトチーム^{1,2,3}

1)東京工業大学、2)国立遺伝学研究所、3)基礎生物学研究所

1P-42 微生物ゲノムデータの登録システム in DDBJ

○李慶範¹、大城戸利久¹、横山会美¹、児玉悠一¹、野崎亜沙美¹、真島 淳¹、神沼英里¹、菅原秀明¹、高木利久^{1,3}、大久保公策^{1,2}、中村保一¹

1)日本 DNA データバンク (DDBJ)、2)ライフサイエンス統合データベースセンター、3)東京大学大学院新領域創成科学研究科 情報生命科学専攻

1P-43 TogoAnnotation: ゲノムアノテーションリファレンス情報集積システム整備と放線菌アノテーションの試み

○藤澤貴智¹、岡本忍²、照井敬子¹、桧原直子¹、加藤香奈¹、石井英治^{1,3}、神沼英里¹、菅原秀明¹、内山郁夫⁴、黒川顕⁵、中村保一¹

1)情報システム研究機構 国立遺伝学研究所 生命情報 DDBJ研究センター、2)情報システム研究機構 ライフサイエンス統合データベースセンター、3)近畿大学大学院 農学研究科、4)基礎生物学研究所 理論生物学領域、5)東京工業大学 大学院 生命理工学研究科 生命情報専攻

1P-44 微生物比較ゲノムデータベースMBGDにおけるオーソログ分類の改良:ドメイン境界の精緻化を中心に

○千葉啓和¹、内山郁夫¹

1)基礎生物学研究所

- 1P-45 比較ゲノムを用いた二次代謝系遺伝子クラスターの予測**
 ○竹田至¹、梅村舞子²、小池英明²、小山芳典²、町田雅之²
 1)東京農工大学、2)産業技術総合研究所
- 1P-46(1SB-5) GPUを用いたメタゲノム解析のための大規模配列相同性検索ツールCLASTの開発**
 ○矢野雅大¹、森宙史²、黒川顕²
 1)東工大 生命理工学部、2)東工大院 生命理工
- 1P-47(1SA-5) マルチエージェント法を用いた細菌群集シミュレーション**
 ○堂園亜由美¹、伊藤貴広¹、西山依里¹、森宙史¹、黒川顕¹
 1)東京工業大学大学院生命理工学研究科
- 《遺伝子の発現制御》
- 1P-48(O-13) Genomic and environmental contributions to bacterial transcriptome**
 應 蓓文¹、瀬尾茂人¹、四方哲也^{1,2,3}
 1)阪大院 情報、2)阪大院 生命機能、3)ERATO
- 1P-49 γプロテオバクテリアに現れたパントテン酸合成の新規制御因子PanZ**
 ○野崎晋五¹、仁木宏典^{1,2}
 1)情報システム研究機構 国立遺伝学研究所 系統生物研究センター、2)総合研究大学院大学 遺伝学専攻
- 1P-50(O-14) 大腸菌二成分制御系間で働く新規調節因子の探索とその機能解析**
 ○石井英治¹、植田健陽¹、江口陽子²、吉川雄樹²、井上貴人²、仲宗根薫³、内海龍太郎^{1,2}
 1)近畿大院 農 バイオ、2)近畿大 農 バイオ、3)近畿大 工 生化工
- 1P-51(O-15) 核様体タンパク質H-NS結合位置の大腸菌株間比較解析**
 ○東光一¹、戸邊亨²、鈴木穂³、菅野純夫³、石川周⁴、小笠原直毅⁴、黒川顕¹、大島拓⁴
 1)東京工業大学大学院生命理工学研究科、2)大阪大学大学院医学系研究科、3)東京大学大学院新領域創成科学研究科、4)奈良先端科学技術大学院大学バイサイエンス研究科
- 1P-52(O-16) 大腸菌転写因子LeuO のゲノム転写制御における新規役割: Universal Silencer H-NSに対する拮抗作用**
 ○島田友裕^{1,2,3}、Arnaud Bridet⁴、Romain Briandet⁴、石浜明^{2,3}
 1)東京工業大学資源化学研究所、2)法政大学マイクロ ナノテクノロジー研究センター、3)法政大学生命科学部、4)INRA Micalis, France
- 1P-53 大腸菌機能未知転写因子YiaUの制御標的遺伝子群の同定と機能解析**
 ○村山里枝¹、島田友裕^{1,2}、小笠原寛^{1,3}、片山泰徳¹、郡彩子¹、山田佳代子¹、石浜明¹
 1)法政大学 生命科学、2)東京工業大学 資源化学研、3)信州大学 ヒト環境研究セ
- 1P-54 大腸菌機能未知転写因子YegWの転写制御機能の解析**
 ○保科元気¹、島田友裕^{1,2}、佐藤史佳¹、荒井明菜¹、山田佳代子¹、郡彩子¹、石浜明¹
 1)法政大学 生命科学 生命機能、2)東京工業大学 資源化学研
- 1P-55(1SA-6) プラスミド由来H-NS様因子の新規な多量体形成機構**
 ○鈴木千穂¹、尹忠銖^{1,2}、堀田彰一郎³、寺田透²、田之倉優³、山根久和¹、野尻秀昭^{1,2}
 1)東大 生物工学セ、2)東大院農生科 アグリバイオ、3)東大院農生科 応生化
- 1P-56 Pseudomonas sp. NT-80 における耐熱性リパーゼ発現誘導機構の解析**
 ○赤沼元気¹、関谷麻美¹、吉澤梨絵¹、牛尾一利²、志波優³、渡辺智⁴、吉川博文^{3,4}、石塚盛雄¹
 1)中央大 理工 応化、2)新居浜高専 生物応化、3)東京農大 NGRC、4)東京農大 応生科 バイオ

- 1P-57(1SA-7) **枯草菌における転写開始点に依存した新規熱ショック応答機構の解析**
○佐藤絢¹、小林郷菜¹、小川陸雄¹、松本光生¹、渡辺智¹、千葉櫻拓¹、吉川博文¹
1)東京農大 バイオ
- 1P-58(O-18) ***Bacillus megaterium* の光センサー型転写調節タンパク質 LitRの機能解析**
○高野英晃¹、萩原健太¹、平田直哉¹、上田賢志¹
1)日大生物資源 生命科学研究センター
- 1P-59(O-17) **枯草菌DegS-DegU2成分制御系遺伝子発現はClpXP-Spxタンパク分解システムとグルコース-CcpAシステムの支配下にある。**
石井洋¹、志波優²、吉川博文^{2,3}、田中暉夫¹、○小倉光雄¹
1)東海大 海洋研、2)東農大 NGRC、3)東農大 バイオ
- 1P-60(1SB-6) **Genome-wide analysis of protein-DNA interactions by *in vivo* genome footprinting with high-throughput sequencing**
○Onuma Chumsakul¹、Kensuke Nakamura²、Shu Ishikawa¹、Taku Oshima¹、Naotake Ogasawara¹
1)Graduate School of Biological Sciences, 2)Graduate School of Information Science, Nara Institute of Science and Technology
- 1P-61 **枯草菌緊縮制御の転写開始点の塩基種に依存した孢子形成誘導機構**
○東條繁郎¹、広岡和丈¹、藤田泰太郎¹
1)福山大学 生命工学部 生物工学科
- 1P-62(1SB-7) **枯草菌の孢子形成期に特異的な翻訳機能を変化させる16S rRNA変異株の探索**
○難波恵理¹、前橋真利江¹、鈴木祥太¹、武田拓也¹、河村富士夫¹
1)立教大学 理学部 生命理学科
- 1P-63(O-19) **なぜ放線菌 *Streptomyces griseus* の主要シグマ因子はECFシグマ因子に制御されるのか**
○大谷啓志¹、大西康夫¹
1)東大院農生科 応生工
- 1P-64 **転写因子AdpAとtRNA BldAからなるフィードバックループによる *Streptomyces* 属放線菌の遺伝子発現制御**
○肥後明佳¹、堀之内末治¹、大西康夫¹
1)東大院農生科 応生工
- 1P-65(1SA-8) ***Anabaena* sp. PCC 7120のヘテロシスト分化におけるゲノムDNAのメチル化**
○田中裕二¹、粟井光一郎²
1)静岡大学大学院、2)静岡大学若手グローバル育成拠点
- 1P-66 **シアノバクテリア *Synechococcus elongatus* PCC 7942における二成分制御系レスポンスレギュレーターSrrAの機能解析**
○林麻衣子¹、加藤宏明¹、久保知之¹、嵯峨濃結衣¹、渡辺智¹、千葉櫻拓¹、吉川博文¹
1)東京農大 応生科 バイオ
- 1P-67 **二成分情報伝達システムによるイネ苗立枯細菌病菌 *Burkholderia plantarii* における植物毒素トロポロンの生産制御**
○紀平絵梨¹、岡本 尚¹、仲宗根 薫²、関根光雄³、藤田信之³、波多野和樹⁴、五十嵐雅之⁴、内海 龍太郎¹
1)近畿大院農 バイオ、2)近畿大工 生化工、3)NITE、4)微化研
- 1P-68(O-20) **共生窒素固定に重要な根粒菌シグマ因子RpoH1/RpoH2の解析**
○三井久幸¹
1)東北大 院生命科

《真核微生物》

- 1P-69(O-22) 植物で初めて同定された窒素同化を制御する転写因子**
○今村壮輔^{1,2}、兼崎友²、大沼みお³、井上貴之³、関根靖彦³、藤原崇之³、黒岩常祥³、田中寛^{1,2}
1)東工大資源研、2)東大分生研、3)立教大理
- 1P-70(O-23) ジャポニカス分裂酵母に見いだされた菌糸の光応答反応**
○仁木宏典^{1,2}、岡本尚¹、野崎晋五¹、古谷寛治^{1,3}
1)情報システム研究機構 国立遺伝学研究所 系統生物研究センター、2)総合研究大学院大学 遺伝学専攻、3)京都大学放射線生物研究センター
- 1P-71(1SA-9) 分裂酵母を用いた試験管内生殖隔離の実現に向けて**
○清家泰介¹、中村太郎¹、下田親¹
1)大阪市立大学大学院理学研究科
- 1P-72(O-24) 担子菌類のヌクレオソームマップ解析**
○西田洋巳¹、近藤伸二²、松本貴嗣³、鈴木穰⁴、吉川博文³、Todd D. Taylor²、杉山純多⁵
1)東京大学農学生命科学研究科、2)理化学研究所、3)東京農業大学、4)東京大学新領域創成科学研究科、5)テクノスルガ ラボ
- 1P-73 細胞性粘菌種間での遺伝子発現パターンの網羅的比較解析**
○福原健輔¹、毛利蔵人¹、桑山秀一¹、漆原秀子¹
1)筑波大学生命環境系
- 1P-74(O-25) Arachidonic acid cascade negatively contributes to caffeine tolerance via non-apoptotic pathway.**
○Hidekazu Kuwayama¹
1)Graduate School of Life and Environment, University of Tsukuba, Japan

2P

《細胞増殖の分子機構》

- 2P-1 大腸菌の生育に必須なtRNA修飾酵素遺伝子yggDの遺伝学的解析**
○橋本知佳¹、加藤潤一¹
1)首都大 理工 生命
- 2P-2(2SB-1) 大腸菌染色体大規模欠失株を用いた定常期の生存に関する遺伝子の探索**
○岩館佑未¹、加藤潤一¹
1)首都大 理工 生命
- 2P-3(O-26) 細菌培養誘導期の観察**
山本悠里江¹、中西忍¹、工藤融¹、○橋本昌征²
1)信州大 繊維 応生、2)信州大 若手拠点
- 2P-4(O-27) Keio collectionを使ったHydroxyurea感受性株の解析**
○中屋敷徹¹、森浩禎¹
1)奈良先端科学技術大学院大学
- 2P-5(2SA-1) Functional Profiling of the *E. coli* Genes in Long-Term Stationary Phase**
○Y. Otsuka¹, R. Takeuchi¹, H. Dose¹, H-C. Huang², H-F. Juan³, M. Yamada⁴, H. Matsuno⁵, B. L. Wanner⁶, H. Mori¹
1)Graduate Sch. of Biological Sci., NARA Inst. of Sci. and Technology, 2)Inst. of BioMed. Informatics, Natl. Yang-Ming Univ., 3)Dept. of Life Sci., Natl. Taiwan Univ., 4)Faculty of Agriculture, Yamaguchi Univ., 5)Faculty of Sci., Yamaguchi Univ., 6)Dept. of Biological Sci., Purdue Univ.

- 2P-6** **Construction of comprehensive small RNA deletion libraries in *Escherichia coli* and systematic analysis using these resources.**
○Wataru Nomura¹, Hitomi Dose¹, Toru Nakayashiki¹, Hirota Mori¹
1)Nara Institute of Science and Technology
- 2P-7** **大腸菌バイオフィルム形成統括制御因子CsgDの発現と機能の解析**
○小笠原寛^{1,2}、山本兼由²、石浜明²
1)信州大学 ヒト環境、2)法政大学 生命科学
- 2P-8(2SB-2)** **なぜ微生物感染で死ぬのか？「感染防御としての死」仮説の検証**
○福世真樹¹、佐々木顕²、小林一三¹
1)東大 新領域、東大 医科研、東大 理、2)総研大 生命共生体進化
- 2P-9(2SA-2)** **プラスミドの保持により転写変動する宿主遺伝子の網羅的検出と核様体タンパク質の関与の検討**
○高橋裕里香¹、新谷政己^{1,2}、尹忠銖^{1,3}、原啓文⁴、西田洋巳³、山根久和¹、野尻秀昭^{1,3}
1)東大 生物工学セ、2)理研BRC-JCM、3)東大院農生科 アグリバイオ、4)岡山理大工 生体
- 2P-10** **細菌低温耐性機構に関するプロテオーム解析**
○門屋亨介¹、笠原康裕¹
1)北海道大学 低温科学研究所
- 2P-11** **非コードDNA領域単独によるプラスミド分配システムの解析**
○林宏恵¹ 久留主泰朗²
1)東京農工大学大学院連合農学研究科、2)茨城大学農学部
- 2P-12(2SB-3)** **プラスミド由来核様体タンパク質のプラスミド安定性への寄与と作用機構の解明**
○廣谷龍輔¹、高瀬識之¹、武田俊春¹、鈴木千穂¹、尹忠銖^{1,2}、新谷政己^{1,3}、山根久和¹、野尻秀昭^{1,2}
1)東大 生物工学セ、2)東大院農生科 アグリバイオ、3)理研BRC-JCM
- 2P-13(2SA-3)** **プラスミドの負荷を軽減する染色体因子の発見**
高瀬識之¹、○能登優¹、高橋裕里香¹、松本貴嗣²、吉川博文²、土金恵子³、細山哲³、藤田信之³、山根久和¹、野尻秀昭¹
1)東大 生物工学セ、2)東農大 生物資源ゲノム解析セ、3)NITE
- 2P-14(2SB-4)** **IncP-7群プラスミドpCAR1が宿主のバイオフィルム形成に与える影響の解析**
○李昇昱¹、高橋裕里香¹、大浦啓²、山根久和¹、野村暢彦²、野尻秀昭¹
1)東大生物工学セ、2)筑波大院生命環境
- 2P-15(O-28)** **プラスミドの保持により変化する宿主の表現型の網羅的検出と核様体タンパク質の関与の検討**
高橋裕里香¹、武田俊春¹、新谷政己^{1,2}、山根久和¹、○野尻秀昭¹
1)東大 生物工学セ、2)理研BRC-JCM
- 2P-16(O-29)** **一細胞レベルの解析技術によるプラスミドの宿主域の解明**
○新谷政己¹、松井一泰²、井上潤一¹、野尻秀昭²、大熊盛也¹
1)理研BRC-JCM、2)東大生物工学セ
- 2P-17** **枯草菌細胞伸長における細胞壁溶解酵素の機能**
○松島弘明¹、橋本昌征²、関口順一¹
1)信州大 院 工、2)信州大 若手拠点
- 2P-18** **枯草菌LytFの局在性におけるリポテイコ酸および膜脂質組成変化の影響**
○山根久彌¹、矢澤一也¹、吉川律子¹、蕨野裕哉¹、山本博規¹
1)信大院 応生

- 2P-19(2SA-4) **枯草菌ppGpp合成酵素YjbMの機能解析**
○星屋将太¹、田上和美¹、河村富士夫¹
1)立教大学理学部生命理学科
- 2P-20 **枯草菌孢子形成の人工誘導遺伝子系の構築**
○唐木智充¹、須永愛¹、朝井計¹
1)埼玉大学大学院理工学研究科
- 2P-21 **枯草菌における糖脂質の生理機能解析**
○松岡聡¹、千葉美奈子¹、原弘志¹、松本幸次¹
1)埼玉大学大学院理工学研究科
- 2P-22(2SB-5) **SP10ファージ感染防御に関与するプロファージSPβnonA 遺伝子の機能解析**
○山本達也¹、Yee Lii Mien²、朝井計³、中村幸治¹
1)筑波大院生命環境、2)東大生物工学セ、3)埼玉大院理工 分子生物
- 2P-23(2SA-5) **枯草菌二成分制御系多重破壊株の構築と解析**
○美浦裕介¹、加藤孝弘¹、高田啓¹、朝井計²、吉川博文¹
1)東京農大 応生科 バイオ、2)埼玉大 理工学 分子生物
- 2P-24 **脂質代謝と細胞分裂を共役させるネットワークの解析**
○高田啓¹、盛田雅人¹、清水翔¹、志波優²、松本幸次³、吉川博文^{1,2}
1)東京農大 バイオ、2)NGRC、3)埼玉大 理 分子生物
- 2P-25 **Functional analysis of the Veg protein that stimulates biofilm formation in *Bacillus subtilis***
○Ying Lei, Shu Ishikawa¹, and Naotake Ogasawara¹
1)Genomics of Bacterial Cell Functions Laboratory, Graduate School of Biological Science, NAIST
- 2P-26(O-30) ***Bacillus weihenstephanensis* KBAB4株の孢子形成期におけるDNA再編成**
○安部公博¹、青柳隆大¹、廣田泰伯¹、佐藤勉¹
1)法政大学 生命科学部 生命機能学科
- 2P-27(2SA-6) **枯草菌定常期におけるダイマーリボソーム形成機構及びyvyD 遺伝子の機能解析**
○加増祐佳¹、田上和美¹、矢野晃一¹、河村富士夫¹
1)立教大学理学部生命理学科
- 2P-28(2SB-6) **枯草菌の孢子形成初期におけるrRNAの分解制御に関する解析**
○渡辺和哉¹、前橋真利江¹、河村富士夫¹
1)立教大学 理学部 生命理学科
- 2P-29(2SA-7) **枯草菌rRNAの分解制御に関する研究**
○前橋真利江¹、渡辺和哉¹、難波恵理¹、中村浩一郎¹、田上和美¹、矢野晃一¹、河村富士夫¹
1)立教大学理学部生命理学科
- 2P-30(2SB-7) **枯草菌16S rRNA変異株構築及び機能解析**
○鈴木祥太¹、矢野晃一¹、関根靖彦¹、河村富士夫¹
1)立教大学理学部生命理学科
- 2P-31(2SA-8) **枯草菌及び緑色硫黄細菌由来ferredoxin-NADP⁺酸化還元酵素のferredoxinとの相互作用における構造**
○瀬尾悌介¹、栗栖源嗣²、樋口芳樹³、櫻井武¹
1)金沢大学、2)大阪大学、3)兵庫県立大学
- 2P-32 **好アルカリ性細菌*Bacillus pseudofirmus* OF4株における細胞表層タンパク質の同定**
○藤浪 俊¹、伊藤政博¹
1)東洋大学 バイオ ナノエレクトロニクス研究センター

- 2P-33** **The antibiotic roseoflavin produced by *Streptomyces davawensis* reduces the activity of Azor from *Escherichia coli***
○Shinobu Nakanishi^{1,2}, Simone Langer², Tilo Mathes³, Masaru Tanokura⁴, Masayuki Hashimoto¹, and Matthias Mack²
1)YREC Shinshu University, 2)Mannheim University of Applied Sciences, 3)Humboldt University, 4)Tokyo University
- 2P-34** **シアノバクテリアにおける細胞分化に伴う糖代謝系変換制御**
○得平茂樹¹、大森正之²
1)中央大 理工 生命
- 2P-35** **シアノバクテリアにおける酸化損傷塩基除去機構の解析**
○成田佳織¹、久留主泰朗¹
1)茨城大学農学部
- 2P-36** **シアノバクテリア *Synechococcus elongatus* PCC7942 マルチコピーゲノム分配機構の解析**
○野田明日翔¹、渡辺智¹、千葉櫻拓¹、吉川博文¹
1)東京農大 応生科 バイオ
- 2P-37** **シアノバクテリア *Synechococcus elongatus* PCC 7942におけるDNAヘリカーゼDnaBの解析**
○江田鈴菜¹、大林龍胆¹、渡辺智¹、千葉櫻拓¹、吉川博文¹
1)東京農大 応生科 バイオ
- 2P-38(2SB-8)** ***Synechocystis* の酸性ストレス条件下でPG含有量維持に関わるABCトランスポーターを構成する遺伝子の解析**
○田原寛子¹、内山純爾²、松本幸次³、太田尚孝^{1, 2}
1)東理大 理、2)東理大 総研 RNA、3)埼玉大院 理工 生命科学
- 2P-39(2SA-9)** **酸耐性獲得シアノバクテリアのゲノム情報解析**
○内山純爾¹、兼崎 友²、浅倉良介³、岩田直也³、吉川博文⁴、太田尚孝^{1,3}
1)東理大 総研 RNA、2)東農大 生物資源、3)東理大 理、4)東農大 応生 バイオ
- 2P-40** **好熱性シアノバクテリアにおけるc-di-GMPが調節する生理的機能**
○田村洵也¹、池内昌彦¹
1)東京大学 総合文化研究科
- 2P-41** **原核細胞オルガネラ「マグネトソーム」の生細胞イメージング**
○森井 香¹、田岡 東^{1,2}、福森 義宏^{1,2}
1)金沢大学大学院自然科学研究科、2)金沢大学理工研究域バイオ AFM先端研究センター
- 2P-42** **細菌型磁気オルガネラ局在ヘム蛋白質MamPの機能解析**
○江口友佳子¹、見世慎吾¹、田岡東^{1,2}、福森義宏^{1,2}
1)金沢大学大学院自然科学研究科、2)金沢大学理工研究域バイオAFM先端研究センター
- 2P-43** ***Burkholderia multivorans* ATCC 17616株ゲノムからSTM法で選抜した土壌環境下での生残関与候補遺伝子の解析**
○石橋蓉子¹、千本木淳子¹、大坪嘉行¹、永田裕二¹、津田雅孝¹
1)東北大院生命科
- 2P-44** **ゲノム情報を用いた酢酸菌の耐熱化機構解明に向けたアプローチ**
○松谷峰之介¹、Wichai Soemphol¹、平川英樹²、薬師寿治¹、松下一信¹
1)山口大農 生物機能、2)かずさDNA研 植物ゲノム研究部

- 2P-45 経時的転写解析によるプロピオン酸酸化共生菌と水素資化性メタン生成菌の共生解析
○高坂智之¹ 織田雅直² 渡邊一哉³ 山田守⁴
1)山口大農、2)AIST、3)ERATO光橋本、4)山口大医学系

《代謝工学 合成生物学》

- 2P-46(2SB-9) チャバネアオカメムシ-大腸菌の人工共生系
○石井佳子¹、細川貴弘¹、菊池義智¹、深津武馬¹
1)産業技術総合研究所 生物プロセス研究部門
- 2P-47 紅色光合成細菌におけるバクテリオクロフィル合成を大腸菌で再構成する試み
○川口達也¹、藤原弘平¹、本多弘典¹、加藤潤一¹
1)首都大 理工 生命
- 2P-48(O-31) 紅色硫黄光合成細菌 *Allochromatium vinosum* の光合成関連遺伝子制御因子の同定と解析
○藤原弘平¹、萩原進¹、川口達也¹、古屋伸久¹、加藤潤一¹
1)首都大 理工 生命
- 2P-49 イソプレノイド合成系を改変した大腸菌におけるFe-Sクラスター生合成系の *in vivo* 機能解析
○田中尚志¹、葛山智久²、高橋康弘¹
1)埼玉大学院 理工 生命科学、2)東京大学 生物生産工学研究センター
- 2P-50(O-32) 人為的なイノシトール異性体バイオコンバージョンが誘発するトランスクリプトーム変動
○吉田健一¹、山岡優¹、Chumsakul Onuma²、石川周²、小笠原直毅²
1)神戸大院 農、2)奈良先端大 バイオ
- 2P-51(2SA-10) 枯草菌の16S rRNA改変型リボソームを用いた高発現系の開発
○武田拓也¹、鈴木祥太¹、矢野晃一¹、難波恵理¹、河村富士夫¹
1)立教大学理学部生命理学科
- 2P-52(2SB-10) 枯草菌ゲノムベクターシステムを利用したミニセルロソームの構築
○中山薫¹、原 裕一¹、松岡聡²、吉川博文¹
1)東京農大 バイオ、2)埼玉大 理 分子生物
- 2P-53 線状プラスミドSAP1を用いた放線菌遺伝子クラスター操作システムの構築
○松田卓也¹、池田治生²、片岡正和¹
1)信州大学大学院工学系研究科、2)北里大学生命科学研究所
- 2P-54(2SB-11) 糸状菌の機能未知生合成遺伝子を活用した二次代謝産物合成システムの構築
○中沢威人¹、石内勘一郎¹、大熊貴司¹、石川格靖¹、五反田康孝¹、野口博司¹、守屋央朗²、渡辺賢二¹
1)静岡県大 薬、2)岡山大 RCIS
- 2P-55(O-33) 糸状菌 *Phomopsis amygdali* のゲノム解析によるフシコクシン生合成遺伝子クラスターの同定、機能解析と応用
野池基義¹、小野裕介¹、加藤修雄²、○大利徹¹
1)北大院 工、2)阪大 産研

《メタゲノム研究》

- 2P-56(O-34) オーソログ解析に基づく新規ゲノム メタゲノムデータのアノテーション
○内山郁夫¹
1)基礎生物学研究所
- 2P-57(O-35) アオコ発生湖水環境に存在するファージの網羅的解析
○島守祐月¹、斎藤真奈美¹、志村洋一郎¹、稲元民夫¹、福島淳¹
1)秋田県大生物資源科学 微生物機能

- 2P-58(O-36) ヒ素含有塩湖における微生物ヒ素代謝及び遺伝子発現応答の網羅的解析**
○濱村奈津子¹、奥田修二郎²
1)愛媛大 CMES、2)立命館大 生命情報
- 2P-59(O-37) ゲノム、メタゲノムに潜む潜在的機能ポテンシャルの評価**
○高見英人¹、谷口丈晃²、守屋繁樹³、桑原智巳⁴、金久實³、五斗進³
1)海洋機構、2)三菱総研、3)京大化研、4)香川大 医
- 2P-60(2SB-12) Features of sub-seafloor ecosystem revealed through fine scale metagenomic analyses**
○河合幹彦¹、豊田敦²、高木善弘¹、西真郎¹、荒井渉¹、内山郁夫³、坪内泰志¹、諸野祐樹¹、青池寛¹、高井研¹、稲垣史生¹、高見英人¹
1)海洋研究開発機構、2)遺伝研、3)基生研
- 2P-61 漁場環境のメタゲノム解析**
○森一樹¹、田代康介¹、久原哲¹、南雲吉代¹、石野園子¹、石野良純¹、藤原篤志²、佐野元彦²
1)九州大学、2)中央水研
- 2P-62 臨海域の熱水中における微生物メタゲノム解析**
○土居克実¹、岩瀬真¹、熊谷健太¹、藤野泰寛²、草場俊司³、安東晶子³、森一樹¹、田代康介¹、久原哲¹
1)九大院 農、2)九大 基幹教育、3)九州電力 総合研究所
- 2P-63 海底質からの海洋由来新規乳酸菌の分離・同定**
○糸永敦史¹、大島敏久²、土居克実²
1)九大院 生物資源環境科学、2)九大院 農 生命機能科学
- 2P-64(2SB-13) 湯野浜温泉源泉中の微生物に対するメタトランスクリプトーム解析によって明らかになった新規 small RNAと特徴的なtRNA分解**
○村上慎之介^{1,2}、藤島皓介¹、富田勝^{1,2,3}、金井昭夫^{1,2,3}
1)慶應義塾大学先端生命科学研究所、2)慶應義塾大学大学院政策メディア研究科、3)慶應義塾大学環境情報学部
- 2P-65(2SA-11) 細菌群集に環境刺激に対する頑健性を与える要因の解明**
○伊藤貴広¹、堂園亜由美¹、西山依里¹、津田雅孝²、森宙史¹、黒川顕¹
1)東京工業大学大学院生命理工学研究科、2)東北大学大学院生命科学研究科
- 2P-66(O-41) 水田土壌微生物群集のメタトランスクリプトーム解析**
○伊藤英臣¹、石井聡^{1,2}、大島健志朗³、白鳥豊⁴、大塚重人¹、服部正平³、妹尾啓史¹
1)東大院 農、2)北大 院工、3)東大院 新領域、4)新潟農総研
- 2P-67 ヒト腸内細菌叢メタゲノム研究とヒト常在菌ゲノム解析**
○金相完¹、大島健志朗¹、須田互¹、金錫元¹、飯岡恵里香¹、稲葉寛実¹、大森恵美¹、木内美沙¹、進藤智絵¹、高山由紀子¹、中野章代²、服部恭江¹、古谷恵子¹、Heba S.Said¹、西島傑¹、高安伶奈¹、森田英利²、服部正平¹
1)東大院 新領域、2)麻布大 獣
- 2P-68 腸内細菌叢を指標としたオランウータン個体識別法の開発**
○須田互¹、日本動物腸内細菌研究コンソーシアム*、鈴木晃²、鈴木南水子²、飯岡恵里香¹、大森恵美¹、高山由紀子¹、中野章代³、金錫元¹、大島健志朗¹、服部正平¹、森田英利³
1)東大院 新領域、2)日本 インドネシア オランウータン保護調査委員会、3)麻布大 獣医

- 2P-69(O-38) Comprehensive 16S-based analysis of effect of probiotics on shaping human gut microbiota**
 ○ Seok-Won Kim¹, Kenshiro Oshima¹, Hidetoshi Morita², Wataru Suda¹, Shinji Fukuda³, Hiroshi Ohno³, Masahira Hattori¹
 1) Graduate School of Frontier Sciences, The University of Tokyo, 2) Graduate School of Veterinary Medicine, Azabu University, 3) RCAI, RIKEN
- 2P-70(2SB-14) 日本人腸内マイクロバイオーーム遺伝子の特徴解明**
 西嶋傑¹、大島健志朗¹、飯岡恵里香¹、大森恵美¹、金錫元¹、金相完¹、須田亙¹、森田英利²、服部正平¹
 1) 東大院 新領域、2) 麻布大 獣
- 2P-71(2SA-12) 土壌細菌群集団の移植と芳香族化合物による汚染化の変動解析**
 ○ 永山浩史¹、遠藤諒¹、加藤広海¹、大坪嘉行¹、永田裕二¹、津田雅孝¹
 1) 東北大院生命科
- 2P-72(O-39) 土壌攪乱に対し同調して動く遺伝子群の解析**
 ○ 加藤広海¹、森宙史²、豊田敦³、大坪嘉行¹、丸山史人⁴、堂園亜由美²、永田裕二¹、藤山秋佐夫⁵、黒川顕²、津田雅孝¹
 1) 東北大学大学院生命科学科、2) 東京工業大学大学院生命理工学研究科、3) 国立遺伝学研究所、4) 東京医科歯科大学大学院医歯学総合研究科、5) 国立情報学研究所
- 2P-73(O-40) メタゲノム解析による活性汚泥中の微生物群集構造の解明**
 阿部貴志¹、中田俊芳²、佐藤修正³、平川英樹³、近藤昭宏²、杉本千尋⁴、池村淑道⁵、松井和彦²
 1) 新潟大、2) 株)日吉、3) かずさDNA研究所、4) 北大、5) 長浜バイオ大
- 2P-74 マリンメタゲノムからの組換え大腸菌生育促進因子の探索**
 寺原猛¹、竹山春子²
 1) 東京海洋大学、2) 早稲田大学
- 2P-75(2SA-13) 土壌環境中で特異的に発現するタンパク質のプロテオーム解析**
 ○ 森本 一¹、門屋享介¹、桑野晶喜¹、笠原康裕¹
 1) 北大 低温研

●NBRP (ナショナルバイオリソースプロジェクト) 紹介

- NBRP-1 究極のモデル真核生物「酵母」の研究を支えるNBRP酵母**
 中村太郎¹、中原富美子¹、周 瑩²、下田 親¹、原島 俊²、○金子嘉信²
 1) 大阪市立大学、2) 大阪大学
- NBRP-2 大腸菌 枯草菌のバイオリソース:
 ナショナルバイオリソースプロジェクト(NBRP)モデル原核生物**
 ○ 仁木宏典¹
 1) 国立遺伝学研究所
- NBRP-3 細胞性粘菌: 微生物研究における有用性とリソース整備**
 ○ 漆原秀子¹、上田太郎²、桑山秀一¹、長崎晃²、毛利蔵人¹
 1) 筑波大学生命環境系、2) 産業技術総合研究所セルエンジニアリング研究部門

●協賛企業ポスター

- TP-1 インシリコバイオロジー(株)
- TP-2 (株)ジナリス
- TP-3 製品評価技術基盤機構
- TP-4 タカラバイオ(株)

●企業展示会(12号館 地下1階)

3月10日(土):13:00~19:00

3月11日(日):9:30(11:00)~19:00

3月12日(月):9:30~14:25

出展企業一覧

(株)アナリティクイエナ ジャパン、アメリエフ(株)、イルミナ(株)、インフォコム(株)、タカラバイオ(株)、(株)チヨダサイエンス、トミーデジタルバイオロジー(株)、(株)ナベ インターナショナル、日鉄環境エンジニアリング(株)、日本ジェネティクス(株)、(株)日立ソリューションズ、ピッツ(株)、フリューダ임(株)、(株)メイズ、ライフテクノロジーズジャパン(株)、(独)理化学研究所 バイオリソースセンター微生物材料開発室、ロシュ・ダイアグノスティックス(株)、和光純薬工業(株)